

باسمه تعالی

## پرونده علمی (CV)

نام و نام خانوادگی: علی اسمعیلی زاده کشکوئیه

تاریخ تولد (روز - ماه - سال): ۲۰-۱۲-۱۳۵۰

محل تولد: رفسنجان

رشته تحصیلی: علوم دامی تخصص: ژنتیک کمی

محل خدمت: دانشگاه شهید باهنر کرمان

نشانی پستی: کرمان - انتهای بلوار ۲۲ بهمن - میدان پژوهش - دانشگاه شهید باهنر کرمان - دانشکده کشاورزی -

گروه علوم دامی

تلفن همراه: ۰۹۱۳۳۹۵۸۰۴۱

تلفن ثابت: ۰۳۴-۳۳۴۳۲۰۸۵

پست الکترونیکی: aliesmaili@uk.ac.ir

### ۱- مدارک و مراتب علمی

#### ۱-۱- مدارک تحصیلی

عنوان پایان نامه	سال اخذ	محل اخذ	رشته تحصیلی	مدرک علمی
<i>Multiple trait analysis for genetic mapping of quantitative trait loci for carcass and beef quality</i>	۱۳۸۵	استرالیا-دانشگاه آدلاید	علوم دامی-ژنتیک کمی	دکترای تخصصی
ارزیابی توان تولید گاوهای هولشتاین در استان یزد	۱۳۷۶	دانشگاه تربیت مدرس	علوم دامی-ژنتیک و اصلاح نژاد دام	کارشناسی ارشد
سمینار: نوسازی کندوهای زنبور عسل	۱۳۷۴	دانشگاه سیستان و بلوچستان	مهندس کشاورزی-دامپروری	کارشناسی

مرتبۀ علمی	دانشگاه	از تاریخ	آخرین پایه
استاد	شهید باهنر کرمان	۱۳۹۳/۱۱/۲۷	۳۳
دانشیار	شهید باهنر کرمان	۱۳۸۹/۱۱/۲۶	
استادیار	شهید باهنر کرمان	۱۳۸۵/۱۱/۲۵	

## ۲- آثار علمی

### ۱-۲- تعداد مقاله‌های چاپ شده در نشریه‌های معتبر علمی داخلی : ۸۰ مقاله

**علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، سیدرضا میرایی آشتیانی، محمد اکبری قرائی، تاثیر وزن زنده و نمره وضعیت بدن میش در زمان آمیزش بر بازده تولید مثل و فصل بره زایی توده گوسفند کردی غرب کشور در شرایط پرورش سنتی، پژوهش و سازندگی، صفحات ۸-۱۶، ۱۳۸۲.

**علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمد آبادی، مسعود اسدی فوزی، نقشه یاب نواحی ژنومی کنترل کننده صفات کمی در دام های اهلی با استفاده از روش رگرسیون ساده، علوم دامی ایران، شماره ۳۹، صفحات ۸۳-۹۳، ۱۳۸۷

**علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمد آبادی، کاوش مولکولی ژنوم گاو برای نقشه یابی جایگاه های ژنی مرتبط با وزن لاشه، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۱، ۱۳۸۸

**علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مدل سازی ساختار کوواریانس آثار نشانگرهای DNA در بین صفات همبسته با استفاده از یک مدل تحلیل عاملی تصادفی، ژنتیک نوین، شماره ۵، صفحات ۲۳-۳۳، ۱۳۸۹

حسن مرادیان، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، سعید سهرابی شعبجره، احسان نصیری، مطالعه اثرات تلاقی دو جانبه بر صفات مرتبط با رشد و خصوصیات لاشه پرندهگان نسل دوم حاصل از تلاقی دو سویه بلدرچین ژاپنی، تحقیقات تولیدات دامی، شماره ۲، صفحات ۶۱-۶۸، ۱۳۹۲

رسول خدابخش زاده، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، حسین مرادی شهراباک، سپیده انصاری نمین، مطالعه جهشهای موجود در نیمه اول اگزون ۲ ژن GDF9 گوسفند آمیخته نژاد رومانوف و نژاد کرمانی، پژوهش های علوم دامی ایران، شماره ۴، صفحات ۳۹۵-۴۰۳، ۱۳۹۳

حسن مرادیان، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمد آبادی، سعید سهرابی شعبجره، شناسایی جایگاه های ژنی مرتبط با وزن و نسبت اندام های داخلی بدن روی کروموزوم شماره ۱ بلدرچین ژاپنی، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۴، صفحات ۱۴۳-۱۵۸، ۱۳۹۳

فاطمه توحیدی نژاد، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، عذرا نجمی نوری، مقایسه سطوح مختلف بیان ژن Rheb در بافت های مختلف بز کرکی راپنی، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۴، صفحات ۳۷-۵۰، ۱۳۹۳

الهه رستم زاده مهدابی، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، بررسی اثر محدودیت متیونین جیره بر عملکرد بلدرچین ژاپنی، پژوهش در تغذیه دام، شماره ۱، صفحات ۳۹-۴۶، ۱۳۹۳

مجیا حمیدی راوری، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمد آبادی، احمد آیت الهی مهرجردی، تجزیه جایگاه های ژنی مرتبط با صفات رشد بر روی کروموزوم های ۳، ۶ و ۹ در گوسفند نژاد کرمانی، ژنتیک نوین، شماره ۱۰، صفحات ۴۶۹-۴۷۶، ۱۳۹۴

آرش جوانمرد، لیلا علی طالش، محمد حسین مرادی، زهرا عزیزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، ارتباط بین حد آستانهای و اندازه موتیف نشانگرهای ریزماهوره با صفات رشد و شاخص نسبت کلیر در بزهای تجاری، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۷، صفحات ۵۱-۶۶، ۱۳۹۴

مهرداد قاسمی میمندی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، تنوع ژنتیکی شترهای شمال استان کرمان با استفاده از نشانگرهای ریز ماهوره، تحقیقات تولیدات دامی، شماره ۱، صفحات ۳۵-۴۵، ۱۳۹۴

رسول خدابخش زاده، محمدرضا محمد آبادی، حسین مرادی شهراباک، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، سپیده انصاری نمین، شناسایی جهش های نقطه ای G A در موقعیت های ۴۷۷ و ۷۲۱ اگزون ۲ ژن GDF9 گوسفندان نژاد کرمانی، ژنتیک نوین، شماره ۲، صفحات ۲۶۱-۲۶۸، ۱۳۹۴

رسول خدابخش زاده، محمدرضا محمد آبادی، حسین مرادی شهراباک، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، شناسایی جهش های موجود در نیمه اول (منتهی به ۵) اگزون ۲ ژن GDF9 گوسفندان آمیخته نژادهای رومانوف و لری بختیاری، تحقیقات تولیدات دامی، شماره ۴، صفحات ۱۵-۲۶، ۱۳۹۴

محمدتقی واجدبراهیمی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، بررسی تنوع ژنتیکی پنج جمعیت گوسفند ایرانی با استفاده از نشانگرهای ریزماهوره-ای، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۴، صفحات ۱۴۳-۱۵۸، ۱۳۹۴

کریم کریمی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، آنالیز ساختار ژنتیکی جمعیت گاوهای بومی ایران با استفاده از نشانگرهای متراکم چندشکل تک نوکلئوتیدی، تحقیقات تولیدات دامی، شماره ۴، صفحات ۹۳-۱۰۴، ۱۳۹۴

نازنین محمودی، احمد آیت الهی مهرجردی، محمود هنرور، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مطالعه توزیع آماری اثرات QTL بر صحت ارزشهای اصلاحی ژنومی برآورد شده با روش Bayesian، پژوهش های علوم دامی ایران، شماره ۷، صفحات ۳۵۶-۳۶۳، ۱۳۹۴

حمیده بازگیر، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، زینب امیری قنات سامان، مسعود اسدی فوزی، شناسایی تنوع ژنوم در مرغ لاری با استفاده از روش توالیبازی کل ژنوم، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۱۳، صفحات ۱۸۹-۲۰۴، ۱۴۰۰

حجت اسدالله پورننائی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، حامد خراتی کوپایی، ژنومیکس مقایسه ایی اسب های پونی و هانوواریان در برابر نژادهای مختلف اسب برای شناسایی ژن های کاندید اندازه بدن و عملکرد ورزشی، ژنتیک نوین، شماره ۱۶، صفحات ۲۴۹-۲۶۱، ۱۴۰۰

محبوبه راشدی فر، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمد آبادی، حامد خراتی کوپایی، بررسی اثر تغذیه دانه گیاه شاهدانه بر بیان ژن نوروپپتید Y NPY در گوسفند بلوچی، پژوهش های تولیدات دامی، شماره ۱۲، صفحات ۱۶۴-۱۷۱، ۱۴۰۰

رسول اکبری وکیل آباد، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، زینب امیری قنات سامان، احمد آیت الهی مهرجردی، شناسایی تنوع ژنوم در مرغ مردی با استفاده از روش توالی یابی کل ژنوم، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۱۲، صفحات ۱۶۲-۱۷۶، ۱۳۹۹

محمدرضا احسنی، محمدرضا محمد آبادی، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، امین خضری، حمیدرضا اسماعیلی، بیان ژن لپتین در بافت زیر پوستی گاوهای هلشتاین، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۱، صفحات ۱۳۵-۱۵۰، ۱۳۹۸

محبوبه کرد، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، ارسلان برازنده، مطالعه تغییرات پیش بینی مولفه های واریانس و فراسنجه های ژنتیکی تابع توزیع زنده مانی در میش های نژاد کرمانی، پژوهش های علوم دامی ایران، شماره ۴، صفحات ۴۸۹-۴۹۹، ۱۳۹۸

مهین رسانی، حسینعلی ساسان، سمانه السادات کارآموز، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، احمد آیت الهی مهرجردی، تکثیر و همسانه سازی ژن آلفاتوکسین باکتری کلستریدیوم پرفرینجنس در باکتری E.coli، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۱۱، صفحات ۶۷-۸۶، ۱۳۹۸

- زینب امیری قنات سامان، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، شناسایی ایندله‌ها در ژنوم سگ و گرگ بومی ایران با روش توالی‌یابی کل ژنوم، ژنتیک نوین، شماره ۱۴، صفحات ۸۵-۸۸، ۱۳۹۸
- عاطفه پیراسته، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، آنالیز ژنتیکی میزان تولید شیر و چربی شیر در دوره‌های مختلف شیردهی گاوهای هولشتاین ایران با استفاده از مدل‌های مناسب، مجله زیست‌شناسی ایران - انجمن زیست‌شناسی ایران، شماره ۳۲، ۱۳۹۸
- زینب امیری قنات سامان، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، شناسایی حذف و اضافه در ژنوم سگ و گرگ ایران به روش توالی‌یابی کل ژنوم، ژنتیک نوین، شماره ۱۴، صفحات ۸۵-۸۸، ۱۳۹۸
- سعید سهرابی شعبجره، طاهره اسکندری نسب سیاهکوهی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمدآبادی، شناسایی نشانگرهای تک‌نوکلئوتیدی در مرغ بومی فارس با استفاده از روش توالی‌یابی کل ژنوم، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۱، صفحات ۱۳۹-۱۵۱، ۱۳۹۷
- محبوبه ایران منش، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمدآبادی، نقشه‌یابی جایگاه‌های ژنی مرتبط با وزن بدن روی کروموزوم شماره ۵ در یک جمعیت F2 بلدرچین ژاپنی، پژوهش‌های تولیدات دامی، شماره ۲، صفحات ۱۱۱-۱۱۸، ۱۳۹۷
- حامد خراتی کوپایی، اسماعیل ابراهیمی، محمد دادپسند، علی نیازی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، شناسایی واریانتهای ژنتیکی در لاین آرین و بررسی عملکرد آنها با استفاده از توالی‌یابی کل ژنوم، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۱۰، صفحات ۴۵-۶۰، ۱۳۹۷
- احسان نصیری فر، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، حسن مرادیان، سعید سهرابی شعبجره، مهدی طالبی، بررسی جایگاه صفت کمی موثر بر صفات رشد در بلدرچین ژاپنی با استفاده از طرح نانتی پدري، پژوهش‌های تولیدات دامی، شماره ۸، صفحات ۱۲۲-۱۲۹، ۱۳۹۷
- الهه سنجرى بنستانی، مهدیه ضیاءالدینی دشتخاکی، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، چندشکلی ژن میوستاتین و ارتباط آن با صفات رشد در بزهای کرکی رایینی، تولیدات دامی، شماره ۲۰، صفحات ۳۶۵-۳۷۳، ۱۳۹۷
- رسول خدابخش زاده، محمدرضا محمدآبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، حسین مرادی شهربابک، شناسایی چندشکلیهای موجود در آگزون دوم ژن GDF9 در گوسفندان خالص و آمیخته پاکستانی، پژوهش‌های تولیدات دامی، شماره ۱۶، صفحات ۱۵۸-۱۶۵، ۱۳۹۶
- مرجان احمدی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، احسان نصیری فر، آنالیز آثار متقابل افزایشی، غلبه و ایمپربیتینگ QTL با هیچ و جنس روی برخی صفات کروموزوم ۵ بلدرچین ژاپنی، پژوهش‌های علوم دامی ایران، شماره ۹، صفحات ۱۲۵-۱۳۴، ۱۳۹۶
- الهه سنجرى بنستانی، مهدیه ضیاءالدینی دشتخاکی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمدآبادی، بررسی ارتباط چندشکلی ژن لپتین با صفات مرتبط با اندازه بدن در بزهای کرکی رایینی، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۹، صفحات ۹۷-۱۰۹، ۱۳۹۶
- رسول خدابخش زاده، محمدرضا محمدآبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مرادی شهربابک حسین، شناسایی چندشکلی در آگزون دوم ژن GDF9 در گوسفندان خالص و آمیخته پاکستانی، پژوهش‌های تولیدات دامی، شماره ۱۶، صفحات ۱۵۸-۱۶۵، ۱۳۹۶
- مصطفی دهقانی قنات غستانی، احمد آیت الهی مهرجردی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، بررسی تنوع ژنتیکی و فیلوژنتیکی ناحیه loop-d میتوکندری در نژاد گوسفند وحشی و گوسفند کرمانی، ژنتیک نوین، شماره ۱۲، صفحات ۶۴۹-۶۵۳، ۱۳۹۶
- ابراهیم اسدی خشویی، رویا حریت، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، سعداله هوشمند، نقشه‌یابی جایگاههای ژنی موثر بر وزن زنده و اندازه بدن در گوسفند لری-بختیاری با استفاده از طرح نانتی پدري و معرفی نشانگرهای زیستی مرتبط با سرعت رشد، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۹، صفحات ۱-۱۶، ۱۳۹۶
- محمدتقی واجد ابراهیمی، محمدرضا محمدآبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، بررسی تنوع ژنتیکی چهار نژاد از گوسفندان موجود در ایران با استفاده از نشانگرهای ریزماهورهای، فن‌آوری زیستی در کشاورزی، شماره ۱، صفحات ۵۹-۶۷، ۱۳۹۶

- سمیرا خسروی مشیزی، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، ارزیابی پیشرفت ژنتیکی صفات رشد در ایستگاه پرورش و اصلاح نژاد گوسفند کرمانی، پژوهش های تولیدات دامی، صفحات ۱۸۷-۱۹۳، ۱۳۹۶
- کریم کریمی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، بررسی سطوح عدم تعادل پیوستگی در ژنوم گاوهای بومی استان فارس با استفاده از داده‌های متراکم نشانگرهای چند شکل تک نوکلئوتیدی، پژوهش های علوم دامی، شماره ۲۷، صفحات ۱۷-۲۷، ۱۳۹۶
- الهه رستم زاده مهدابی، مسعود اسدی فوزی، ملک حسین اسدی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، بررسی اثر وزن اولیه بر بیان ژن در عضله سینه بلدرچین ژاپنی، پژوهش های تولیدات دامی، شماره ۸، ۱۳۹۶
- سعید سهرابی شعبجره، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمد آبادی، حسن مرادیان، احسان نصیری فر، رسول خدابخش زاده، شناسایی جایگاه های ژنی موثر بر عدم تقارن اسکلتی در بلدرچین ژاپنی، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۸، صفحات ۶۹-۸۴، ۱۳۹۵
- زینب امیری قنات سامان، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، بررسی تنوع ساختاری ژنگان سگ و گرگ بومی ایران با روش توالیبندی کل ژنوم، علوم دامی ایران، شماره ۴۷، صفحات ۲۷۱-۲۷۷، ۱۳۹۵
- مجید پسندیده، حامد خراتی کوپائی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، ارتباط آلل های ژن های OPN و PPARGC1A با تعداد سلول های بدنی شیر در گاوهای هلستاین ایران، ژنتیک نوین، شماره ۳، صفحات ۳۵۷-۳۶۵، ۱۳۹۵
- مهرداد قاسمی میمندی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مهدیه منتظری، انتساب افراد به جمعیت هایی از شترهای شمال استان کرمان با استفاده از نشانگرهای ریزماهور، ژنتیک نوین، شماره ۳، صفحات ۳۲۹-۳۳۵، ۱۳۹۵
- محبوبه ایران منش، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمد آبادی، سعید سهرابی شعبجره، شناسایی جایگاه های ژنی موثر بر سرعت رشد و نسبت کلیبر روی کروموزوم شماره پنج بلدرچین ژاپنی، تحقیقات تولیدات دامی، شماره ۴، صفحات ۱۲-۲۲، ۱۳۹۵
- هما اعرابی، محمد مرادی شهربابک، عباس پاکدل، حسین مرادی شهر بابک، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، شناسایی یک چندشکلی جدید در راه انداز ژن عامل رشد شبه انسولین-۱ (igf1) در بلدرچین ژاپنی به روش PCR-SSCP، علوم دامی ایران، شماره ۴۷، صفحات ۳۰۳-۳۱۳، ۱۳۹۵
- مرجان احمدی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، احسان نصیری فر، محبوبه ایران منش، تجزیه QTL های مرتبط با صفات اسکلت روی کروموزوم شماره پنج بلدرچین ژاپنی، ژنتیک نوین، شماره ۱۱، صفحات ۵۶۹-۵۷۸، ۱۳۹۵
- امیرحسین جعفری دره در، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، علی ریاحی مدوار، بررسی بیان ژن CIB4 در بافت های مختلف گوسفند کرمانی با استفاده از Real Time qPCR، پژوهش در نشخوارکنندگان، شماره ۴، صفحات ۱۱۹-۱۳۲، ۱۳۹۵
- مهدیه منتظری، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، شناسایی نواحی ژنومی تحت انتخاب با استفاده از نشانگرهای تک نوکلئوتیدی در گوسفندان مرینوس استرالیایی، ژنتیک نوین، شماره ۱۱، صفحات ۴۵۹-۴۶۷، ۱۳۹۵
- مهدیه منتظری، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، شناسایی نواحی ژنومی تحت انتخاب با استفاده از نشانگرهای تک نوکلئوتیدی در، ژنتیک نوین، شماره ۱۱، صفحات ۴۵۹-۴۶۷، ۱۳۹۵
- نادر فروغ عامری، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، پویش کل ژنوم هشت نژاد گاو بومی ایران برای شناسایی نشانه های انتخاب، تولیدات دامی، شماره ۱۸، صفحات ۲۰۱-۲۱۳، ۱۳۹۵
- الهه رستم زاده مهدابی، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، بررسی اثر محدودیت متیونین بر بیان ژن، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۸، صفحات ۴۷-۶۰، ۱۳۹۵
- غلامرضا داشاب، علی اصغر اسلمی نژاد، محمدرضا نصیری، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، داوودعلی ساقی، بررسی فراسنجه های ژنتیکی و محیطی بر وزن بیده و خصوصیات ایلاف پشم گوسفند بلوچی، علوم دامی، صفحات ۸۸-۱۰۰، ۱۳۹۴

احسان نصیری فر، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، حسن مرادیان، سعید سهرابی شعبیره، شناسایی جایگاه های صفات کم ی موثر بر صفات لاشه و اندام های داخلی کروموزوم شماره دو بلدرچین ژاپنی، علوم دامی ایران، شماره ۴۶، صفحات ۲۲۳-۲۳۳، ۱۳۹۴.

کریم کریمی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، برآورد اندازه موثر جمعیت در گاو سرابی بر اساس نشانگرهای چندشکل تک نوکلئوتیدی، علوم دامی ایران، شماره ۴۶، صفحات ۳۳۵-۳۴۳، ۱۳۹۴.

الهه رستم زاده مهدابی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، بررسی ساختار و تنوع ژنتیکی سه اکوتیپ مرغ بومی با جد مشترک و لاین های تجاری با استفاده از داده های توالی یابی کل ژنوم، فصلنامه ژنتیک نوین، دوره ۱۷، شماره ۳، صفحات ۲۴۹-۲۳۹، ۱۴۰۱.

امیر مسعود اسماعیلیان، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمدآبادی، مهدی منصوری، محمد علی فرهوشی، حامد خراتی کوپایی، اثر تغذیه‌ی دانه‌ی شاهدانه بر بیان ژن *CPT1B* در گوسفند بلوچی، تولیدات دامی، دوره ۲۴، شماره ۳، صفحات ۲۹۰-۲۸۱، ۱۴۰۱.

حامد خراتی کوپایی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، حجت اسدالله پورننائی، ارزیابی پتانسیل ژنتیکی اکوتیپ های مرغ بومی ایران به منظور حفظ ذخایر ژنتیکی، بیوتکنولوژی کشاورزی، شماره ۱۴، صفحات ۱۱۹-۱۳۲، ۱۴۰۱.

رعنا پدر، علی اسمعیلی زاده کشکوئیه، احمد آیت الهی مهرجردی، حجت اسدالله پورننائی، حامد خراتی کوپایی، شناسایی چندشکلی های تک نوکلئوتیدی در ژنوم اکوتیپ های مرغ شاخدار ایران برای مطالعه روابط فیلوژنتیکی و میزان همخونی، علوم دامی ایران، شماره ۵۳، صفحات ۴۳-۵۱، ۱۴۰۱.

زهرا پتی آبادی، محمد رزم کبیر، علی اسمعیلی زاده کشکوئیه، محمدحسین مرادی، امیر رشیدی، پوشش ژنومی نشانه های انتخاب در گوسفندان پوستی و پشمی ایرانی با استفاده از روش های برآوردگر ناریب *FST* و *hapFLK*، مجله تحقیقات تولیدات دامی، دوره ۱۲، شماره ۲، صفحات ۱۹-۱، ۱۴۰۲.

زهرا پتی آبادی، محمد رزم کبیر، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدحسین مرادی، امیر رشیدی، شناسایی نواحی ژنومی تحت انتخاب مثبت برای سازگاری با ارتفاع بالا در گوسفندان ایرانی، فصلنامه علوم دامی ایران، دوره ۵۵، شماره ۱، صفحات ۲۰-۱، ۱۴۰۳.

سوسن رادپور، محمدتقی بیگی نصیری، محمدحسین مرادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، شناسایی مناطق ژنومی مرتبط با ذخیره چربی در برخی از نژادهای گوسفند آسیایی و آفریقایی بر پایه روش نشانه های انتخاب، فصلنامه علوم دامی ایران، دوره ۵۶، شماره ۱، صفحات ۱۶-۱، ۱۴۰۴.

علی نوروزی، محمدحسین مرادی، حسین محمدی، امیر حسین خلت آبادی فراهانی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، تجزیه و تحلیل غنی سازی مجموعه های ژنی جهت شناسایی مناطق ژنومی مرتبط با سازگاری محیطی در برخی از نژادهای گوسفندان ایرانی، مجله تحقیقات تولیدات دامی، دوره ۱۴، شماره ۲، صفحات ۱۸-۱، ۱۴۰۴.

۲-۲- تعداد مقاله‌های چاپ شده در نشریه‌های معتبر بین‌المللی (ضریب تأثیر (IF) و چارک (Q) مجله): ۱۳۰ مقاله

**Esmailzadeh, A. & M., Sargolzaei, A novel approach for mapping complex disease loci in mice exploiting a mixed-effects model. Abstracts of Iranian biotechnology congress published in Iranian Biomedical Journal, (2007) 24:156. Scopus ; Quartile: Q3.**

**Esmailzadeh, A., C. D. K. Bottema, G. S. Sellick, A. P. Verbyla, C. A. Morris, N. G. Cullen, W. S. Pitchford, Effects of the myostatin F94L substitution on beef traits. Journal of Animal Science, (2008) 86:1038-1046. IF: 3.338 ; Quartile: Q1.**

- Esmailzadeh A.**, O. Dayani and M. S. Mokhtari; "Lambing season and fertility of fat-tailed ewes under an extensive production system are associated with liveweight and body condition around mating", CSIRO Publishing, *Animal Production Science*, (2009) 49(12):1086-1092. IF: 1.816 ; Quartile: Q3
- Mohammad Abadi M.R., N. Askari, A. Baghizadeh, **A. Esmailzadeh**; "A directed search around caprine candidate loci provided evidence for microsatellites linkage to growth and cashmere yield in Rayini goats", *Small Ruminant Research*, Elsevier, (2009) 81:146-151. IF: 1.942; Quartile: Q2
- Morris C.A.; W. S. Pitchford; N. G. Cullen; **A. Esmailzadeh**; S. M. Hickey; D. Hyndman; K. G. Dodds; A. Afolayan; A. M. Crawford and C. D. K. Bottema; "Quantitative trait loci for live animal and carcass composition traits in Jersey and Limousin back-cross finished on pasture or feedlot ", Blackwell Publishing, *Animal Genetics*, (2009) 40(5):648-654. IF: 3.169; Quartile: Q1
- Mousavizadeh A.; M. R. Mohammad Abadi; A. Torabi; M. R. Nassiry; H. Ghiasi; and **A. Esmailzadeh**; "Genetic polymorphism at the growth hormone locus in Iranian Talli goats by polymerase chain reaction-single strand conformation polymorphism (PCR-SSCP)", *Iranian Journal of Biotechnology*, (2009) 7(1):51-53. IF: 1.773; Quartile: Q4
- Mokhtari, S. M., A. Rashidi and **A. Esmailzadeh**; "Estimates of genetic parameters for reproductive traits in Kermani sheep", Elsevier B.V, *Small Ruminant Research*, (2010) 88(1):27-31. IF: 1.942 ; Quartile: Q2
- Mohammadi, Y., A. Rashidi, M.S. Mokhtari, **A. Esmailzadeh**; "Quantitative genetic analysis of growth traits and Kleiber ratios in Sanjabi sheep", Elsevier B.V, *Small Ruminant Research*, (2010) 93:88-93. . IF: 1.942 ; Quartile: Q2
- Morris, C.A., C.D.K., Bottema, N.G., Cullen, S.M., Hickey, **A., Esmailzadeh**, B.D., Siebert, and W.S., Pitchford; "Quantitative trait loci for organ weights and adipose fat composition in Jersey and Limousin back-cross cattle finished on pasture or feedlot", Blackwell Publishing, *Animal Genetics*, (2010) 41(2): 589-596. IF: 3.169 ; Quartile: Q1
- Esmailzadeh, A.**; "A partial genome scan to identify quantitative trait loci affecting birthweight in Kermani sheep", Elsevier B.V, *Small Ruminant Research*, (2010) 94:73-78. IF: 1.942; Quartile: Q2
- Rashidi, A., S.Mokhtari, **A. Esmailzadeh**, M. Asadifouzi; "Genetic analysis of ewe productivity traits in Moghani sheep ", Elsevier B.V, *Small Ruminant Research*, (2011) 96:11-15. IF: 1.942; Quartile: Q2
- Javanmard, A., N.Azadzadeh, **A. Esmailzadeh**; "Mutations in bone morphogenetic protein 15 and growth differentiation factor 9 genes are associated with increased litter size in fat-tailed

- sheep breeds ", Springer, *Veterinary Research Communication*, (2011) 35: 157-167. IF: 2.816; Quartile: Q1
- Ahsani, M.R., M. Shamsaddinibafti, **A. Esmailizadeh**, M.R. Mohammadabadi; "Genotyping of isolates of *Clostridium perfringens* from vaccinated and unvaccinated sheep", Elsevier B.V, *Small Ruminant Research*, (2011) 95:65-69. IF: 1.942; Quartile: Q2
- Dayani, O., G.R., Ghorbani, **A., Esmailizadeh**; "Supplementation with whole cottonseed changes milk composition and milk fatty acid profile in dairy cows", CSIRO Publishing, *Animal Production Science*, (2011) 51:95-101. IF: 1.816; Quartile: Q3
- Esmailizadeh A.**, S.R., MiraeiAshtiani, M.S., Mokhtari, M., Asadifozi; "Growth performance of crossbred lambs and productivity of kurdi ewes as affected by the sire breed under extensive production system", *Journal of Agricultural Science and Technology*, (2011) 13: 701-708. IF: 1.462; Quartile: Q3
- Esmailizadeh A.**, Pitchford W.S., Bottema C.D.K., Cullen N.G., Hickey S.M., Siebert B.D. & Morris C.A.; "Genetic mapping of quantitative trait loci for meat quality and muscle metabolic traits in cattle", *Animal Genetics*, (2011) 42: 592-599. doi: 10.1111/j.1365-2052.2011.02197.x. IF: 3.169; Quartile: Q1
- Dashab, G.R., A. Aslaminejad, M. Nassiri, **A. Esmailizadeh**, D.A. Saghi, 2011. Analysis of genetic diversity and structure of Baluchi sheep by microsatellite markers. *Tropical and Subtropical Agroecosystems*, 14: 1047-1054. Scopus ; Quartile: Q3
- Esmailizadeh, A.**, M., Nemati, M.S., Mokhtari; "Fattening performance of purebred and crossbred lambs from fat-tailed Kurdi ewes mated to four Iranian native ram breeds", *Tropical Animal Health and Production*, Springer Netherlands, (2011) 44:217–223. IF: 1.893; Quartile: Q2
- Esmailizadeh A.**, Baghizadeh, A., M., Ahmadizadeh; "Genetic mapping of quantitative trait loci affecting body weight on chromosome 1 in a commercial strain of Japanese quail", *Animal Production Science*, CSIRO Publishing, Australia, (2012) 52:64–68. IF: 1.816; Quartile: Q3
- Salahi A., M., Moosanezhad Khabisi, **A., Esmailizadeh**; "Effects of pre-incubation upside-down positioning of eggs from breeder flocks with different ages on hatchability and chick quality", CSIRO Publishing, *Animal Production Science*, CSIRO Publishing, Australia, (2012) 52, 269–275. IF: 1.816; Quartile: Q3
- Kharrati Koopaei, H., Mohammad Abadi, M.R., Ansari Mahyari, S., **Esmailizadeh, A.**, Tarang, A. R., Potki, P.; "Effect of *DGATI* variants on milk composition traits in Iranian Holstein cattle population", *Animal Science Papers and Reports*, (2012) 30:231-239. IF: 1.078; Quartile: Q4
- Nobari, K., Nassiry, M.R. Aslaminejad, A.A., Tahmoorespur, M., **Esmailizadeh, A.**; "Effects of

- QTL parameters and marker density on efficiency of Haley–Knott regression interval mapping of QTL with complex traits and use of artificial neural network for prediction of the efficiency of HK method in livestock”, *Journal of Applied Animal Research*, (2012) 4:247-255. IF: 2.228; Quartile: Q4
- Sohrabi S. S., **A. Esmailizadeh**, A. Baghizadeh, H. Moradian, M. R. Mohammadabadi, N. Askari, E. Nasirifar; “Quantitative Trait Loci underlying hatching weight and growth traits in an F2 intercross between two strains of Japanese quail”. *Animal Production Science*, (2012) 52:1012-1018. IF: 1816; Quartile: Q3
- Dashab, G.R., A. Aslaminejad, M. Nassiri, **A. Esmailizadeh**, D.A. Saghi, “Quantitative trait loci for fleece traits in baluchi sheep”. *Tropical and Subtropical Agroecosystems*, (2012) 15: 445-455. Scopus; Quartile: Q3
- Nobari K., A.A. Aslaminejad, M.R. Nassiry, M.T., **A. Esmailizadeh**; “Confidence intervals obtained from different methods using simulated data and their evaluation through artificial neural network”, Indian Council of Agricultural Research, *Indian Journal of Animal Sciences*, India, (2012) 82: 1423–1428. IF: 0.344; Quartile: Q4
- Dashab, G.R., A. Aslaminejad, M. Nassiri, **A. Esmailizadeh**, G. Sahana, D.A. Saghi; “Identification of quantitative trait loci for wool traits in Iranian Baluchi sheep”, Indian Council of Agricultural Research, *Indian Journal of Animal Sciences*, India, (2012) 82:1533–1538. IF: 0.344; Quartile: Q4
- Dashab, G.R., A. Aslaminejad, M. Nassiri, **A. Esmailizadeh**, D.A. Saghi; “Quantitative trait loci for fleece traits in Baluchi sheep”, *Tropical and Subtropical Agroecosystems*, Autonomous University of Yucatan, Mexico, (2012) 14: 445-455. Scopus; Quartile: Q3
- Charati H., **Esmailizadeh A.**; “Carcass traits and physical characteristics of eggs in Japanese quail as affected by genotype, sex and hatch”, *Journal of Livestock Science and Technologies*, Shahid Bahonar University of kerman and Iranian Society of Animal Science, (2013) 1: 57-62. Scopus; Quartile: Q4
- Ghaffarizadeh A., Eftekhari M., **Esmailizadeh A.**, Flann N. S.; “Quantitative trait loci mapping problem: an extinction-based multi-objective evolutionary algorithm approach”, *Algorithms*, Switzerland, (2013) 6:546-564. Scopus; Quartile: Q2
- Mokhtari M.S., MoradiShahrbabak M., **Esmailizadeh A.**, Abdollahi R., Gutierrez J.P.; “Genetic diversity in Kermani sheep assessed from pedigree analysis”, *Small Ruminant Research*, Netherlands, (2013) 114:202-205. IF: 1.942; Quartile: Q2
- Mokhtari M.S., MoradiShahrbabak M., **Esmailizadeh A.**, MoradiShahrbabak H., Gutierrez J.P.; “Pedigree analysis of Iran-Black sheep and inbreeding effects on growth and reproduction traits”, *Small Ruminant Research*, Netherlands, (2014) 116:14-20. IF: 1.942; Quartile: Q2

- Zandi E., M.R. Mohammadabadi, M. Ezzatkah and **A. Esmailizadeh**; “Typing of Toxigenic Isolates of *Clostridium perfringens* by Multiplex PCR in Ostrich”, *Iranian Journal of Applied Animal Science*, (2014) 4: 795-801. Scopus; Quartile: Q3
- Kharrati H., **Esmailizadeh A.**; “SNPs genotyping technologies and their applications in farm animals breeding programs”, *Brazilian Archives of Biology and Technology*, Brazil, (2014) 57: 87-95. IF: 1337; Quartile: Q4
- Jabbari, R. **Esmailizadeh A.**, Charati H., Mohammadabadi M.R., Sohrabi S. S.; “Identification of QTL for live weight and growth rate using DNA markers on chromosome 3 in an F2 population of Japanese quail”, *Molecular Biology Reports*, Netherlands, (2014) 41:1049–1057. IF: 2.742 ;Quartile: Q4
- Ahmadi M., **A. Esmailizadeh**, A. Ayatollahi Mehrgardi, E. Nasirifar; “Linkage analysis of microsatellite markers on chromosome 5 in an F2 population of Japanese quail to identify quantitative trait loci affecting carcass traits”, *Journal of Livestock Science and Technologies*, Shahid Bahonar University of Kerman and Iranian Society of Animal Science, (2014) 2: 32-38. Scopus; Quartile: Q4
- Moradian H., **Esmailizadeh A.**, Sohrabi S. S., Nasirifar E., Askari N., Mohammadabadi M.R., Baghizadeh A.; “Genetic analysis of an F2 intercross between two strains of Japanese quail provided evidence for quantitative trait loci affecting carcass composition and internal organs”, *Molecular Biology Reports*, Netherlands, (2014) 41:4455–4462. IF: 2.742 ; Quartile: Q4
- Charati H., **Esmailizadeh A.**, Jabbari Ori, Moradian, H., Ayatollahi Mehrgardi A.; “Detection of quantitative trait loci affecting carcass traits and internal organs on chromosome 3 in an F2 intercross of Japanese quail”, *Animal Science Papers and Reports*, PWN-Polish Scientific Publishers, Poland, (2014) 32:369-383. IF: 1.078; Quartile: Q4
- Esmailizadeh, A.**; "Genome-scan analysis for genetic mapping of quantitative trait loci underlying birth weight and onset of puberty in doe kids (*Capra hircus*)", *Animal Genetics*, Wiley-Blackwell, Australia, (2014) 45: 849–854. IF: 3.169 ; Quartile: Q1
- Esmailizadeh A.**; “Detection of chromosomal segments underlying scrotal circumference in ram lambs and age at onset of puberty in ewe lambs”, *Animal Production Science*, CSIRO Publishing, Australia, (2015) 55:1018-1024. IF: 1.816 ; Quartile: Q3
- Ebrahimi Hoseinzadeh Z., M.R. Mohammadabadi, **A. Esmailizadeh** and A. Khezri; “Association of *PIT1* gene and milk protein percentage in Holstein cattle”. *Journal of Livestock Science and Technologies*, (2015) 3: 41-49. Scopus ; Quartile: Q4

- Pasandideh M., M.R. Mohammadabadi, **A. Esmailizadeh**, A. Tarang; “Association of bovine PPARGC1A and OPN genes with milk production and composition in Holstein cattle” *Czech Journal of Animal Science*, (2015) 60: 97–104. IF: 1.387 ;Quartile: Q3
- Karimi K, **A. Esmailizadeh**, C Gondro, “Comparison of linkage disequilibrium levels in Iranian indigenous cattle using whole genome SNPs data” (2015) *Journal of Animal Science and Technology* 57 (1), 1. IF: 6.853 ; Quartile: Q1
- Iranmanesh M, A Esmailizadeh, MRM Abadi, E Zand, MS Mokhtari, “A molecular genome scan to identify DNA segments associated with live weight in Japanese quail”, (2016), *Molecular Biology Reports* 43 (11), 1267-1272. IF: 2.742; Quartile: Q4
- Okpeku M, **A. Esmailizadeh**, AC Adeola, L Shu, Y Zhang, Y Wang, “Genetic Variation of Goat Interferon Regulatory Factor 3 Gene and Its Implication in Goat Evolution”, (2016), *PloS one* 11 (9), e0161962. IF: 4.069; Quartile: Q2
- Moazeni SM, MR Mohammadabadi, M Sadeghi, H Moradi Shahrabak, **A. Esmailizadeh**, “Association of the melanocortin-3 (MC3R) receptor gene with growth and reproductive traits in Mazandaran indigenous chicken” (2016), *Journal of Livestock Science and Technologies* 4 (2), 51-56. Scopus ;Quartile: Q4
- Khodabakhshzadeh R, MR Mohammadabadi, **A. Esmailizadeh**, “Identification of point mutations in exon 2 of GDF9 gene in Kermani sheep”, (2016), *Polish Journal of Veterinary Sciences* 19 (2), 281-289. IF: 1.008 ;Quartile: Q3
- Moradian H, E Nasirifar, SS Sohrabi, **A Esmailizadeh**, “Microsatellite mapping of quantitative trait loci affecting carcass traits on chromosome 1 in half-sib families of Japanese quail (*Coturnix japonica*)” (2016) *Journal of Livestock Science and Technologies* 4 (1), 53-60. Scopus; Quartile: Q4
- Shamsalddini S, MR Mohammadabadi, **A. Esmailizadeh**, “Polymorphism of the prolactin gene and its effect on fiber traits in goat”, (2016), *Russian Journal of Genetics* 52 (4), 405-408. IF: 0.72 ;Quartile: Q4
- Nasirifar E, M Talebi, **A. Esmailizadeh**, H Moradian, SS Sohrabi, N Askari, “A chromosome-wide QTL mapping on chromosome 2 to identify loci affecting live weight and carcass traits in F2 population of Japanese quail”, (2016), *Czech Journal of Animal Science* 61 (6), 290-297. IF:1.387; Quartile: Q3
- Kharrati Koopae, H, M Pasandideh, M Dadpasand, **A Esmailizadeh**, MR Abadi, Joint Analysis of the DGAT1, OPN and PPARGC1A genes effects on variation of milk production and composition in Holstein cattle population (2016), *Iranian Journal of Applied Animal Science*, 6 (4):797-803. Scopus; Quartile: Q3

- Momen, M, A Ayatollahi Mehrgardi, A Sheikhy, **A Esmailizadeh**, M Assadi Foozi, Predictive Ability of Statistical Genomic Prediction Methods When Underlying Genetic Architecture of Trait Is Purely Additive, (2016), *Iranian Journal of Applied Animal Science*, 6 (4): 815-822. Scopus; Quartile: Q3
- Karimi K, A Esmailizadeh, MA Fozi, LR Porto-Neto, C Gondro, “Prioritization for conservation of Iranian native cattle breeds based on genome-wide SNP data”, (2016), *Conservation Genetics* 17 (1), 77-89. IF: 3.092 ; Quartile: Q2
- Karimi K, EM Strucken, N Moghaddar, MH Ferdosi, **A. Esmailizadeh**, C Gondro, “Local and global patterns of admixture and population structure in Iranian native cattle”, (2016), *BMC Genetics* 17 (1), 108. Scopus; Quartile: Q3
- Vajed Ebrahimi, MT, MR Mohammadabadi, **A Esmailizadeh**, Using microsatellite markers to analyze genetic diversity in 14 sheep types in Iran (2017), *Archiv fuer Tierzucht*, 60(3):183. IF:1.776 ;Quartile: Q3
- Montazeri, M., Asadi Fozi, M., **Esmailizadeh, A.**, Ferdosi, M., Van der Werf, J. A genome-wide scan to detect signatures of recent selection in Australian Merino sheep. *Journal of Livestock Science and Technologies*, 2017; 5(2): 63-73. doi: 10.22103/jlst.2017.10267.1190. Scopus
- Amiri Ghanatsaman, Z., AC Adeola, M Asadi Fozi, YP Ma, MS Peng, GD Wang, **A. Esmailizadeh**, YP Zhang, Mitochondrial DNA sequence variation in Iranian native dogs, *Mitochondrial DNA Part A*, (2017), 1-8. IF: 1.695 ; Quartile: Q4
- Momen, M, A Ayatollahi Mehrgardi, A Sheikhy, **A Esmailizadeh**, M Asadi Fozi, A Kranis, BD Valente, GJM Rosa, D Gianola, A predictive assessment of genetic correlations between traits in chickens using markers, (2017), *Genetics Selection Evolution* 49 (1), 16. IF: 5.236 ; Quartile: Q1
- Stella A, Nicolazzi EL, Van Tassell CP, Rothschild MF, Colli L, Rosen BD, Sonstegard TS, Crepaldi P, Tosser-Klopp G, Joost S; **AdaptMap Consortium**. AdaptMap: exploring goat diversity and adaptation. *Genetics Selection Evolution* 2018 Nov 19;50(1):61. doi: 10.1186/s12711-018-0427-5. IF: 5.236 ; Quartile: Q1
- Sohrabi SS, Mohammadabadi M, Wu DD, **Esmailizadeh A**. Detection of breed-specific copy number variations in domestic chicken genome. *Genome* 2018; 61(1):7-14. doi: 10.1139/gen-2017-0016. IF: 2.665 ; Quartile: Q3
- Karimi, K., **A. Esmailizadeh**, DD Wu, C Gondro, (2018), Mapping of genome-wide copy number variations in the Iranian indigenous cattle using a dense SNP data set, *Animal Production Science*, 58(7): 1192-1200. IF: 1.816 ; Quartile: Q3
- Maryam Nosrati, Hojjat Asadollahpour Nanaei, Zeinab Amiri Ghanatsaman, Ali Esmailizadeh, 2018. Whole genome sequence analysis to detect signatures of positive selection for high

- fecundity in sheep, *Reproduction in Domestic Animals*, 54(2): 358-364. IF: 2.005; Quartile: Q2
- Hadi Charati, Min-Sheng Peng, Wei Chen, Xing-Yan Yang, Roghayeh Jabbari Ori, Mohsen Aghajanpour-Mir, **Ali Esmailzadeh**, Ya-Ping Zhang, 2019. The evolutionary genetics of lactase persistence in seven ethnic groups across the Iranian plateau. *Human Genomics*, 13(1): 7. IF:6.48; Quartile: Q1
- Zeng L, Tu XL, Dai H, Han FM, Lu BS, Wang MS, Nanaei HA, Tajabadipour A, Mansouri M, Li XL, Ji LL, Irwin DM, Zhou H, Liu M, Zheng HK, **Esmailzadeh A**, Wu DD. 2019. Whole genomes and transcriptomes reveal adaptation and domestication of pistachio. *Genome Biology*, 18;20(1):79. IF: 20.367; Quartile: Q1
- Fazel, Y, A Esmailzadeh, M Momen, M Asadi Fozzi. 2019. Importance of genotype by environment interaction on genetic analysis of milk yield in Iranian Holstein cows using a random regression model. *Animal Production Science*, 59(8): 1438-1445. IF: 2.315; Quartile: Q2
- Wang X, Zhou BW, Yang MA, Yin TT, Chen FL, Ommeh SC, Esmailzadeh A, Turner MM, Poyarkov AD, Savolainen P, Wang GD, Fu Q, Zhang YP. 2019. Canine transmissible venereal tumor genome reveals ancient introgression from coyotes to pre-contact dogs in North America. *Cell research* 29 (7), 592. IF:46.297; Quartile: Q1
- Kharrati-Koopae H, Ebrahimie E, Dadpasand M, Niazi A, **Esmailzadeh A**. 2019. Genomic analysis reveals variant association with high altitude adaptation in native chickens. *Scientific Reports*, 9(1):9224. IF: 5.516; Quartile: Q2
- Jabbari Ori, R., Shoja, J., **Esmailzadeh, A.**, Rafat, S., Hasanpur, K. Changes in biochemical parameters of a broiler chicken line with cold-induced ascites. *Journal of Livestock Science and Technologies*, 2019; 7(2): 47-55. doi: 10.22103/jlst.2020.2573. Scopus; Quartile: Q4
- Ahsani, M., Mohammadabadi, M., Asadi Fozzi, M., **Esmailzadeh A.**, Khezri, A., Ivanivna Babenko, O., Vitaliivna Bushtruk, M., Vasyliovych Tkachenko, S., Volodymyrivna Stavetska, R., Ihorivna Klopenko, N. Effect of Roasted Soybean and Canola Seeds on Peroxisome Proliferator-Activated Receptors Gamma (*PPARG*) Gene Expression and Cattle Milk Characteristics. *Iranian Journal of Applied Animal Science* 2019; 9(4): 635-642. Scopus ; Quartile: Q3
- Asadollahpour Nanaei, H ., A. Ayatollahi Mehrgardi, **A. Esmailzadeh**, 2019. Comparative population genomics unveils candidate genes for athletic performance in Hanoverians. *Genome* 62 (4), 279-285. IF: 2.665; Quartile: Q3
- Khederzadeh, S., S. Kusza s., C.P. Huang, N. Markov, M. Scandura, E. Babaev, N. Šprem, I.V. Seryodkin, L. Paule, **A. Esmailzadeh**, H.B. Xie, Y.P. Zhang, 2019. Maternal genomic

- variability of the wild boar (*Sus scrofa*) reveals the uniqueness of East-Caucasian and Central Italian populations. *Ecology and Evolution* <https://doi.org/10.1002/ece3.5415> IF: 3.445; Quartile: Q2
- Zeng L, Ming C, Li Y, Su LY, Su YH, Otecko NO, Dalecky A, Donnellan S, Aplin K, Liu XH, Song Y, Zhang ZB, **Esmailzadeh A**, Sohrabi SS, Nanaei HA, Liu HQ, Wang MS, Ag Atteynine S, Rocamora G, Brescia F, Morand S, Irwin DM, Peng MS, Yao YG, Li HP, Wu DD, Zhang YP. 2018. Out of Southern East Asia of the Brown Rat Revealed by Large-Scale Genome Sequencing. *Molecular Biology and Evolution* 1;35(1):149-158. doi: 10.1093/molbev/msx276. IF: 20.074; Quartile: Q1
- Shao Y, Tian HY, Zhang JJ, Kharrati-Koopae H, Guo X, Zhuang XL, Li ML, Nanaie HA, Dehghani Tafti E, Shojaei B, Reza Namavar M, Sotoudeh N, Adeola Oluwakemi A, Li JL, Liang B, Esmailzadeh A, Wang S, Wu DD. 2019. Genomic and phenotypic analyses reveal mechanisms underlying homing ability in pigeon. *Molecular Biology and Evolution* 37(1):134-148. <https://doi.org/10.1093/molbev/msz208>. IF: 20.074; Quartile: Q1
- Ma XY, Ning T, Adeola AC, Li J, **Esmailzadeh A**, Lichoti JK, Agwanda BR, Isakova J, Aldashev AA, Wu SF, Liu HQ, Abdulloevich NT, Afanasevna ME, Ibrohimovich KB, Adedokun RAM, Olaogun SC, Sanke OJ, Godwin M, Chen X, Yang WK, Wang Z, Peng MS, Ommeh SC, Li Y, Zhang YP. 2019. Potential dual expansion of domesticated donkeys revealed by worldwide analysis on mitochondrial sequences. *Zoological Research* doi: 10.24272/j.issn.2095-8137.2020.007. IF: 6.975; Quartile: Q1
- Asadollahpour Nanaei H, **Esmailzadeh A**, Ayatollahi Mehrgardi A, Han J, Wu DD, Li Y, Zhang YP. Comparative population genomic analysis uncovers novel genomic footprints and genes associated with small body size in Chinese pony. *BMC Genomics*. 2020; 21(1):496. doi: 10.1186/s12864-020-06887-2. IF: 4.931; Quartile: Q2
- Asadollahpour Nanaei H, Ayatollahi Mehrgardi A, **Esmailzadeh A**. Whole-genome sequence analysis reveals candidate genomic footprints and genes associated with reproductive traits in Thoroughbred horse. *Reproduction in Domestic Animals*. 2020; 55(2):200-208. doi: 10.1111/rda.13608. IF: 2.005; Quartile: Q2
- Li X, Yang J, Shen M, Xie XL, Liu GJ, Xu YX, Lv FH, Yang H, Yang YL, Liu CB, Zhou P, Wan PC, Zhang YS, Gao L, Yang JQ, Pi WH, Ren YL, Shen ZQ, Wang F, Deng J, Xu SS, Salehian-Dehkordi H, Hehua E, **Esmailzadeh A**, Dehghani-Qanatqestani M, Štěpánek O, Weimann C, Erhardt G, Amane A, Mwacharo JM, Han JL, Hanotte O, Lenstra JA, Kantanen J, Coltman DW, Kijas JW, Bruford MW, Periasamy K, Wang XH, Li MH. Whole-genome resequencing of wild and domestic sheep identifies genes associated with morphological and

- agronomic traits. *Nature Communication*. 2020; 11(1):2815. doi: 10.1038/s41467-020-16485-1. IF:17.763; Quartile: Q1
- Zandi E, Ayatollahi Mehrgardi A, **Esmailizadeh A**. Mammary tissue transcriptomic analysis for construction of integrated regulatory networks involved in lactogenesis of *Ovis aries*. *Genomics*. 2020; 112(6):4277-4287. doi: 10.1016/j.ygeno.2020.07.025. IF: 6.205; Quartile: Q2
- Wu DD, Yang CP, Wang MS, Dong KZ, Yan DW, Hao ZQ, Fan SQ, Chu SZ, Shen QS, Jiang LP, Li Y, Zeng L, Liu HQ, Xie HB, Ma YF, Kong XY, Yang SL, Dong XX, **Esmailizadeh A**, Irwin DM, Xiao X, Li M, Dong Y, Wang W, Shi P, Li HP, Ma YH, Gou X, Chen YB, Zhang YP. Convergent genomic signatures of high-altitude adaptation among domestic mammals. *National Science Review | Oxford Academic*. 2020; 7(6):952-963. doi: 10.1093/nsr/nwz213. IF: 23.92; Quartile: Q1
- Zheng Z, Wang X, Li M, Li Y, Yang Z, Wang X, Pan X, Gong M, Zhang Y, Guo Y, Wang Y, Liu J, Cai Y, Chen Q, Okpeku M, Colli L, Cai D, Wang K, Huang S, Sonstegard TS, **Esmailizadeh A**, Zhang W, Zhang T, Xu Y, Xu N, Yang Y, Han J, Chen L, Lesur J, Daly KG, Bradley DG, Heller R, Zhang G, Wang W, Chen Y, Jiang Y. The origin of domestication genes in goats. *Science Advances*. 2020 May 20;6(21):eaaz5216. doi: 10.1126/sciadv.aaz5216. IF: 16.895; Quartile: Q1
- Amiri Ghanatsaman Z, Wang GD, Asadollahpour Nanaei H, Asadi Fozi M, Peng MS, **Esmailizadeh A**, Zhang YP. Whole genome resequencing of the Iranian native dogs and wolves to unravel variome during dog domestication. *BMC Genomics*. 2020; 21(1):207. doi: 10.1186/s12864-020-6619-8. IF: 4.931; Quartile: Q2
- Moradian H, **Esmailizadeh A**, Mohammadabadi M, Asadi Fozi M. Whole genome detection of recent selection signatures in Sarabi cattle: a unique Iranian taurine breed. *Genes & Genomics*. 2020; 42(2):203-215. doi: 10.1007/s13258-019-00888-6. IF: 2.164; Quartile: Q4
- Asadollahpour Nanaei H, Dehghani Qanatqestani M, **Esmailizadeh A**. Whole-genome resequencing reveals selection signatures associated with milk production traits in African Kenana dairy zebu cattle. *Genomics*. 2020; 112(1):880-885. doi: 10.1016/j.ygeno.2019.06.002. IF: 6.205; Quartile: Q2
- Solaymani, Samaneh; Ayatollahi Mehrgardi, Ahmad; **Esmailizadeh, Ali**; Tusell, Llibertat; Momen, Mehdi; ",Performance of pedigree and various forms of marker-derived relationship coefficients in genomic prediction and their correlations, *Journal of Animal Breeding and Genetics*,137,5,423-437,2020, IF:3.271; Quartile: Q1

- Ruiz-Larrañaga, Otsanda; Nanaei, Hojjat Asadollahpour; Montes, Iratxe; Mehrgardi, Ahmad Ayatollahi; Abdolmohammadi, Alireza; Kharrati-Koopae, Hamed; Sohrabi, Saeed S; Rendo, Fernando; Manzano, Carmen; Estonba, Andone; Mikel Iriondo; **Esmailizadeh, Ali**; "Genetic structure of Iranian indigenous sheep breeds: insights for conservation, *Tropical Animal Health and Production*, 52,5,2283-2290,2020, Springer Netherlands IF: 1.93; Quartile: Q2
- Wang MS, Thakur M, Peng MS, Jiang Y, Frantz LAF, Li M, Zhang JJ, Wang S, Peters J, Otecko NO, Suwannapoom C, Guo X, Zheng ZQ, **Esmailizadeh A**, Hirimuthugoda NY, Ashari H, Suladari S, Zein MSA, Kusza S, Sohrabi S, Kharrati-Koopae H, Shen QK, Zeng L, Yang MM, Wu YJ, Yang XY, Lu XM, Jia XZ, Nie QH, Lamont SJ, Lasagna E, Ceccobelli S, Gunwardana HG, Senasige TM, Feng SH, Si JF, Zhang H, Jin JQ, Li ML, Liu YH, Chen HM, Ma C, Dai SS, Bhuiyan AKFH, Khan MS, Silva GLLP, Le TT, Mwai OA, Ibrahim MNM, Supple M, Shapiro B, Hanotte O, Zhang G, Larson G, Han JL, Wu DD, Zhang YP.; ",863 genomes reveal the origin and domestication of chicken, *Cell Research*,30,8,693-701,2020,Nature Publishing Group. IF:46.29; Quartile: Q1
- Deng J, Xie XL, Wang DF, Zhao C, Lv FH, Li X, Yang J, Yu JL, Shen M, Gao L, Yang JQ, Liu MJ, Li WR, Wang YT, Wang F, Li JQ, Hehua E, Liu YG, Shen ZQ, Ren YL, Liu GJ, Chen ZH, Gorkhali NA, Rushdi HE, Salehian-Dehkordi H, **Esmailizadeh A**, Nosrati M, Paiva SR, Caetano AR, Štěpánek O, Olsaker I, Weimann C, Erhardt G, Curik I, Kantanen J, Mwacharo JM, Hanotte O, Bruford MW, Ciani E, Periasamy K, Amills M, Lenstra JA, Han JL, Zhang HP, Li L, Li MH, Paternal origins and migratory episodes of domestic sheep, *Current Biology*,30,20,4085-4095. e6,2020, Cell Press. IF:12.621; Quartile: Q1
- Ghanatsaman, Zeinab Amiri; Wang, Guo-Dong; Fozi, Masood Asadi; Zhang, Ya-Ping; **Esmailizadeh, Ali**., Genome resequencing data for Iranian local dogs and wolves, *BMC Research Notes*,13,1,1-4,2020,BioMed Central. Scopus; Quartile: Q2
- Cao YH, Xu SS, Shen M, Chen ZH, Gao L, Lv FH, Xie XL, Wang XH, Yang H, Liu CB, Zhou P, Wan PC, Zhang YS, Yang JQ, Pi WH, Hehua E, Berry DP, Barbato M, **Esmailizadeh A**, Nosrati M, Salehian-Dehkordi H, Dehghani-Qanatqestani M, Dotsev AV, Deniskova TE, Zinovieva NA, Brem G, Štěpánek O, Ciani E, Weimann C, Erhardt G, Mwacharo JM, Ahbara A, Han JL, Hanotte O, Miller JM, Sim Z, Coltman D, Kantanen J, Bruford MW, Lenstra JA, Kijas J, Li MH., Historical introgression from wild relatives enhanced climatic adaptation and resistance to pneumonia in sheep, *Molecular Biology And Evolution*,38,3,838-855,2021,Oxford University Press. IF: 20.074; Quartile: Q1
- Moazemi, I; Mohammadabadi, MR; Mostafavi, A; **Esmailizadeh, AK**; Babenko, OI; Bushtuk, MV; Tkachenko, SV; Stavetska, RV; Klopenko, NI., Polymorphism of DMRT3 gene and its

- association with body measurements in horse breeds, *Russian Journal of Genetics*,56,10,1232-1240,2020,Pleiades Publishing IF:0.72; Quartile: Q4
- Nosrati, Maryam; Nanaei, Hojjat Asadollahpour; Javanmard, Arash; **Esmailzadeh, Ali**, The pattern of runs of homozygosity and genomic inbreeding in world-wide sheep populations,*Genomics*,113,3,1407-1415,2021,Academic Press IF: 6.205; Quartile: Q2
- Rezaei, Vahideh; **Esmailzadeh, Ali**; Ayatollahi Mehrgardi, Ahmad; Dehghani Qanatqestani, Mostafa;, Allelic polymorphism in exon 1 of GDF9 and exon 2 of BMP15 genes and its impact on litter size at lambing in Iran-Black sheep, *Journal of Livestock Science and Technologies*,8,2,57-65,2020. Scopus; Quartile: Q4
- Rajaei Nejad, Mansooreh; Ayatollahi Mehrgardi, Ahmad; Rezaei, Vahideh; **Esmailzadeh, Ali**, Allelic polymorphism of exon 2 in BMP15 gene in F1 crossbred sheep from crossing Romanov rams with Kermani ewes, *Journal of Livestock Science and Technologies*,8,2,37-44,2020. Scopus; Quartile: Q4
- Salehian-Dehkordi H, Xu YX, Xu SS, Li X, Luo LY, Liu YJ, Wang DF, Cao YH, Shen M, Gao L, Chen ZH, Glessner JT, Lenstra JA, **Esmailzadeh A**, Li MH, Lv FH., Genome-Wide Detection of Copy Number Variations and Their Association With Distinct Phenotypes in the World's Sheep, *Frontiers in Genetics*,12,,2021, Frontiers Media SA. IF: 4.933; Quartile: Q1
- Shen QK, Peng MS, Adeola AC, Kui L, Duan S, Miao YW, Eltayeb NM, Lichoti JK, Otecko NO, Strillacci MG, Gorla E, Bagnato A, Charles OS, Sanke OJ, Dawuda PM, Okeyoyin AO, Musina J, Njoroge P, Agwanda B, Kusza S, Nanaei HA, Pedar R, Xu MM, Du Y, Nneji LM, Murphy RW, Wang MS, **Esmailzadeh A**, Dong Y, Ommeh SC, Zhang YP.; Genomic analyses unveil helmeted guinea fowl (*Numida meleagris*) domestication in West Africa, *Genome Biology and Evolution*, 13,6,evab090,2021,Oxford University Press. IF: 4.216; Quartile: Q2
- Wang MS, Zhang JJ, Guo X, Li M, Meyer R, Ashari H, Zheng ZQ, Wang S, Peng MS, Jiang Y, Thakur M, Suwannapoom C, **Esmailzadeh A**, Hirimuthugoda NY, Zein MSA, Kusza S, Kharrati-Koopae H, Zeng L, Wang YM, Yin TT, Yang MM, Li ML, Lu XM, Lasagna E, Ceccobelli S, Gunwardana HG, Senasig TM, Feng SH, Zhang H, Bhuiyan AKFH, Khan MS, Silva GLLP, Thuy LT, Mwai OA, Ibrahim MNM, Zhang G, Qu KX, Hanotte O, Shapiro B, Bosse M, Wu DD, Han JL, Zhang YP.; Large-scale genomic analysis reveals the genetic cost of chicken domestication, *BMC Biology*,19,1,1-16,2021,BioMed Central. IF: 8.641 ; Quartile: Q1
- Zeng, Lin; Liu, He-Qun; Tu, Xiao-Long; Ji, Chang-Mian; Gou, Xiao; **Esmailzadeh, Ali**; Wang, Sheng; Wang, Ming-Shan; Wang, Ming-Cheng; Li, Xiao-Long;, Genomes reveal selective

- sweeps in kiang and donkey for high-altitude adaptation, *Zoological Research*,42,4,450-460,2021. IF:6.975; Quartile: Q1
- Moosanezhad Khabisi M, Asadi Foozi M, Lv FH, **Esmailizadeh A**. Genome-wide DNA arrays profiling unravels the genetic structure of Iranian sheep and pattern of admixture with worldwide coarse-wool sheep breeds. *Genomics*. 2021; 113(6):3501-3511. doi: 10.1016/j.ygeno.2021.07.019. IF:6.205; Quartile: Q2
- Chen ZH, Xu YX, Xie XL, Wang DF, Aguilar-Gómez D, Liu GJ, Li X, **Esmailizadeh A**, Rezaei V, Kantanen J, Ammosov I, Nosrati M, Periasamy K, Coltman DW, Lenstra JA, Nielsen R, Li MH. Whole-genome sequence analysis unveils different origins of European and Asiatic mouflon and domestication-related genes in sheep. *Communication Biology*. 2021; 4(1):1307. doi: 10.1038/s42003-021-02817-4. IF: 6.813; Quartile: Q1
- Ali DA, Al-Shuhaib MBS, Farhadi G, Al-Kafajy FR, Al-Thuwaini TM, Esmailizadeh A. Detection of a novel single nucleotide polymorphism in IGF2 gene with a negative impact on egg production and body weight in Japanese quail (*Coturnix japonica*). *Journal of Genetic Engineering & Biotechnology*. 2021; 19(1):170. doi: 10.1186/s43141-021-00271-7. Scopus ; Quartile: Q2
- Kharrati-Koopae H, Ebrahimie E, Dadpasand M, Niazi A, Tian R, **Esmailizadeh A**. Gene network analysis to determine the effect of hypoxia-associated genes on brain damages and tumorigenesis using an avian model. *Journal of Genetic Engineering & Biotechnology*. 2021; 19(1):100. doi: 10.1186/s43141-021-00184-5. Scopus; Quartile: Q2
- Rostamzadeh Mahdabi E, **Esmailizadeh A**, Ayatollahi Mehrgardi A, Asadi Fozzi M. A genome-wide scan to identify signatures of selection in two Iranian indigenous chicken ecotypes. *Genetics Selection Evolution*. 2021; 53(1):72. doi: 10.1186/s12711-021-00664-9. IF:5.263 ; Quartile: Q1
- Mohammadpanah M, Ayatollahi Mehrgardi A, Gilbert H, Larzul C, Mercat MJ, **Esmailizadeh A**, Momen M, Tusell L. Genic and non-genic SNP contributions to additive and dominance genetic effects in purebred and crossbred pig traits. *Scientific Reports*. 2022, 12(1):3795. doi: 10.1038/s41598-022-07767-3. IF: 5.516; Quartile: Q2
- Deniskova, T.; **Esmailizadeh, A.**; Dotsev, A.; Koshkina, O.; Farahvashi, M.A.; Mokhtari, M.; Khabisi, M.M.; Lv, F.-H.; Zinovieva, N. A Search for Eurasian Sheep Relationships: Genomic Assessment of the Autochthonous Sheep Breeds in Russia and the Persian Plateau. *Diversity* 2022, 14, 445. <https://doi.org/10.3390/d14060445>. IF: 3.029; Quartile: Q2

- Asadollahpour Nanaei H, Kharrati-Koopae H, **Esmailzadeh A**. Genetic diversity and signatures of selection for heat tolerance and immune response in Iranian native chickens. *BMC Genomics*. 2022; 23(1):224. doi: 10.1186/s12864-022-08434-7.  
IF: 4.931; Quartile: Q2
- Kharrati-Koopae H, **Esmailzadeh A**, Sabahi F. Transcriptome resequencing data for rock pigeon (*Columba livia*). *BMC Research Notes*. 2022;15(1):121. doi: 10.1186/s13104-022-06007-1. Scopus; Quartile: Q2
- Lv FH, Cao YH, Liu GJ, Luo LY, Lu R, Liu MJ, Li WR, Zhou P, Wang XH, Shen M, Gao L, Yang JQ, Yang H, Yang YL, Liu CB, Wan PC, Zhang YS, Pi WH, Ren YL, Shen ZQ, Wang F, Wang YT, Li JQ, Salehian-Dehkordi H, Hehua E, Liu YG, Chen JF, Wang JK, Deng XM, **Esmailzadeh A**, Dehghani-Qanatqestani M, Charati H, Nosrati M, Štěpánek O, Rushdi HE, Olsaker I, Curik I, Gorkhali NA, Paiva SR, Caetano AR, Ciani E, Amills M, Weimann C, Erhardt G, Amane A, Mwacharo JM, Han JL, Hanotte O, Periasamy K, Johansson AM, Hallsson JH, Kantanen J, Coltman DW, Bruford MW, Lenstra JA, Li MH. Whole-genome resequencing of worldwide wild and domestic sheep elucidates genetic diversity, introgression, and agronomically important loci. *Molecular Biology and Evolution*. 2022; 39(2):msab353. doi: 10.1093/molbev/msab353. IF: 20.074 ; Quartile: Q1.
- Elaheh Rostamzadeh Mahdabi, Rugang Tian, Yuan Li, Xiao Wang, Meng Zhao, Hui Li, Ding Yang, Hao Zhang, SuFan Li, **Ali Esmailzadeh**, Genomic heritability and correlation between carcass traits in Japanese Black cattle evaluated under different ceilings of relatedness among individuals, *Frontiers in Genetics*, 2023, 14. <https://doi.org/10.3389/fgene.2023.1053291>.
- Alireza Nikmanesh, **Ali Esmailzadeh**, Hojjat Asadollahpour Nanaei, Leila Ezedinloo, Masood Asadi Fozzi, Comparison of genetic diversity and phylogenetic structure of BRCA1 gene of some domestic and wild sheep breeds in different countries, *Animal Biotechnology*, 2023, 34 (9): 4746-4759. <https://doi.org/10.1080/10495398.2023.2187410>.
- Rugang Tian, Hamed Kharrati-Koopae, Hojjat Asadollahpour Nanaie, Xiao Wang, Meng Zhao, Hui Li, Yuan Li, Hao Zhang, **Ali Esmailzadeh**, Cynthia DK Bottema, Comparative metabolomics analysis shows key metabolites as potential biomarkers for selection of beef fat colour, *Animal Production Science*, 2023, 63(11) 1063-1067. <https://doi.org/10.1071/AN22476>.
- Wu-Lue Li, Yan-Hu Liu, Jin-Xiu Li, Meng-Ting Ding, Adeniyi C Adeola, Jainagul Isakova, Almaz A Aldashev, Min-Sheng Peng, Xuezheng Huang, Guoli Xie, Xi Chen, Wei-Kang Yang, Wei-Wei Zhou, Zeinab Amiri Ghanatsaman, Sunday C Olaogun, Oscar J Sanke, Philip M Dawuda, Marjo K Hytönen, Hannes Lohi, **Ali Esmailzadeh**, Andrey D Poyarkov, Peter Savolainen, Guo-Dong Wang, Ya-Ping Zhang, Multiple origins and genomic basis of complex traits in sighthounds, *Molecular Biology and Evolution*, 2023, 40(8): msad158. <https://doi.org/10.1093/molbev/msad158>.
- Hosein Salehian-Dehkordi, Jia-Hui Huang, Nasrollah Pirany, Hossein Mehrban, XiaoYang Lv, Wei Sun, **Ali Esmailzadeh**, Feng-Hua Lv, Genomic Landscape of

- Copy Number Variations and Their Associations with Climatic Variables in the World's Sheep, *Genes*, 2023, 14(6), 1256. <https://doi.org/10.3390/genes14061256>.
- Mokhtari M, **A Esmailzadeh**, R Mirmahmoudi, JP Gutierrez, E Mohebbinejad, Comparison of non-linear models and genetic parameter estimation for growth curve traits in the Murciano-Granadina goat breed, *Small Ruminant Research*, 2023, 226: 107059. <https://doi.org/10.1016/j.smallrumres.2023.107059>.
- Patiabadi Z, M Razmkabir, **A Esmailzadeh**, MH Moradi, A Rashidi, Detection of genomic regions under positive selection in adapting to high altitude in Iranian sheep, *Iranian Journal of Animal Science*, 2024, 55(1):143-162. <https://doi.org/10.22099/ijas.2024.14219>.
- Mokhtari M, **A Esmailzadeh**, R Mirmahmoudi, Z Roudbari, A Barazandeh, JP Gutierrez, E Mohebbinejad, Genetic and phenotypic analysis of reproductive traits in the Murciano-Granadina does: Predictive ability of the statistical models and estimation of genetic parameters, *Small Ruminant Research*, 2024, 232:107221. <https://doi.org/10.1016/j.smallrumres.2024.107221>.
- Mokhtari M, **A Esmailzadeh**, Z Roudbari, A Barazandeh, JP Gutierrez, E Mohebbinejad, Early growth performance in the Murciano-Granadina goats: insights from genetic and phenotypic analyses, *The Journal of Agricultural Science*, 2024, 162(2):165-172. <https://doi.org/10.1017/S0021859624000032>.
- Patiabadi Z, M Razmkabir, **AK Esmailzadeh Koshkoiyeh**, MH Moradi, A Rashidi, P Mahmoudi, Whole-genome scan for selection signature associated with temperature adaptation in Iranian sheep breeds, *PLOS One*, 2024, 19(8):e0309023. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0309023>.
- Tian R, M Mahmoodi, J Tian, **SK Esmailzadeh Koshkoiyeh**, M Zhao, M Saminzadeh, H Li, X Wang, Y Li, **A Esmailzadeh**, Leveraging functional genomics for understanding beef quality complexities and breeding beef cattle for improved meat quality, *Genes*, 2024, 15(8):1104. <https://doi.org/10.3390/genes15081104>.
- Mahmoodi M, AA Mehrgardi, M Momen, JA Serpell, **A Esmailzadeh**, Deciphering the genetic basis of behavioral traits in dogs: Observed-trait GWAS and latent-trait GWAS analysis reveal key genes and variants, *The Veterinary Journal*, 2024, 308:106251. <https://doi.org/10.1016/j.tvjl.2023.106251>.
- Pourhamidi S, **A Esmailzadeh**, M Salarmoini, MA Fozi, Comparison of productive performance of Marandi, White Leghorn, and Marandi-White Leghorn crossbred chickens, *BMC Veterinary Research*, 2024, 20(1):460. <https://doi.org/10.1186/s12917-024-03792-w>.
- Radpour S, MT Beigi Nassiri, MH Moradi, **A Esmailzadeh**, Identification of Genomic Regions Associated with Fat Deposition in Some Asian and African Sheep Breeds Based on Selection Signature, *Iranian Journal of Animal Science*, 2025, 56(1):19-34.
- Xu S, Z Akhatayeva, J Liu, X Feng, Y Yu, B Badaoui, **A Esmailzadeh**, J Kantanen, M Amills, JA Lenstra, Genetic advancements and future directions in ruminant livestock breeding: from reference genomes to multiomics innovations, *Science China Life Sciences*, 2025, 68(4):934-960.
- Rostamzadeh Mahdabi E, **A Esmailzadeh**, J Han, MS Wang, Comparative Analysis of Runs of Homozygosity Islands in Indigenous and Commercial Chickens Revealed Candidate Loci for Disease Resistance and Production Traits, *Veterinary Medicine and Science*, 2025, 11(1):e70074.

- Dotsev AV, MH Moradi, TE Deniskova, **A Esmailizadeh**, NF Bakoev, OA Koshkina, D Griffin, MN Romanov, NA Zinovieva, Molecular genetic assessment aids in clarifying phylogenetic status of Iranian Kerman wild sheep, *Animals*, 2025, 15(2):238.
- Nikmanesh A, **A Esmailizadeh**, HA Nanaei, L Ezedinloo, MA Fozi, Whole Sequence Analysis of BRCA1 Gene to Unravel the Genetic Diversity and Phylogenetic Structure of the Domestic and Wild Sheep, *Russian Journal of Genetics*, 2025, 61(1):88-97.
- Rostamzadeh Mahdabi E, R Tian, J Tian, HAN Asadollahpour Nanaie, X Wang, M Zhao, H Li, B Dalai, Y Sai, W Guo, Uncovering genomic diversity and signatures of selection in red Angus × Chinese red steppe crossbred cattle population, *Scientific Reports*, 2025, 15(1):12977. <https://doi.org/10.1038/s41598-025-10985-y>.
- Wang DF, P Orozco-terWengel, H Salehian-Dehkordi, **A Esmailizadeh**, FH Lv, Genomic analyses of Asiatic Mouflon in Iran provide insights into the domestication and evolution of sheep, *Genetics Selection Evolution*, 2025, 57(1):31.
- Moazami E, **A Esmailizadeh**, MR Mohamadabadi, I Moazami, Meta-Analysis of Genome-Wide Studies to Identify Genetic Networks Underlying Marbling in Beef Cattle, *Iranian Journal of Animal Science*, 2025.
- Mokhtari M, MA Fozi, Z Roudbari, A Barazandeh, MM Salari, E Mohebbinejad, **A Esmailizadeh**, Genetic and phenotypic analysis of milk yield and composition in Murciano-Granadina goats, *Journal of Dairy Research*, 2025, 6-Jan.
- Ghaffari F, E Rostamzadeh Mahdabi, MA Asadi Fozi, **A Esmailizadeh**, Genomic scanning of selection signature and key genes associated with the genetic deafness disorder in three dog breeds based on microarray data, *Modern Genetics*, 2025, 20(1), 35-45.

۳-۲- تعداد مقاله‌های ارائه شده در همایش‌های داخلی (با درج مشخصات کامل) ۵۲ مقاله

- علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مطالعه سرعت رشد، واکنش ناشی از ترس و دمای بدن در دو سویه بلدرچین ژاپنی، چهارمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۸۹، ایران.
- علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، محمدرضا محمد آبادی، یک روش مدل مختلط خطی برای مکان یابی نواحی ژنومی کنترل کننده صفات کمی در جمعیت های همخون، دومین همایش ملی زیست شناسی سلولی و مولکولی، ۱۳۸۶، ۱۱، ۹، ایران.
- علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدحسن فولادی، محمدرضا محمد آبادی، تحلیل مولکولی صفت تردی گوشت گاو با فناوری DNA، پنجمین همایش ملی بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران، ۱۳۸۶، ایران.
- علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمد آبادی، مسعود اسدی فوزی، آنالیز توام آزمایشات QTL با استفاده از یک مدل تحلیل عاملی، پنجمین همایش ملی بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران، ۱۳۸۶، ایران.
- محمدحسین فردوسی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، محمدرضا محمد آبادی، تلفیق داده های اومیکس- یک استراتژی کلیدی برای تحلیل مولکولی صفات کمی، سومین کنگره علوم دامی کشور، ۱۳۸۷، ایران.
- محمدرضا محمد آبادی، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، استفاده از نشانگرهای بین ریزماهوره (ISSR) برای بررسی تنوع ژنتیکی گوسفند کرمانی، سومین کنگره علوم دامی کشور، ۱۳۸۷، ایران.
- محمود احمدی زاده، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، احمد آیت الهی مهرجردی، مطالعه اثر جنس و گروه ژنتیکی بر واکنش ناشی از ترس، دمای بدن و سرعت رشد در بلدرچین ژاپنی، یازدهمین کنگره ژنتیک ایران، ۱۳۸۹، ایران.

احمدرضا غفاری زاده، مهدی افتخاری، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، Using Bayesian Information Criterion in Quantitative Trait Loci Mapping Problem, یازدهمین کنگره ژنتیک ایران، ۱۳۸۹، ایران.

محمدرضا احسنی، مهرداد شمس الدینی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مجید عزتخواه، مهدی حسنی درخشان، مقایسه پنج روش استخراج DNA برای باکتری های جنس کلسترییدی، اولین کنفرانس ملی نانو و بیوفناوری، ۱۳۸۹، ایران.

زهرا ابراهیمی حسین زاده، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، امین خضری، سمیه گل محمدی، سمیرا جاویدان، ارتباط ژن PIT 1 با درصد چربی شیر در گاو هلشتاین استان خراسان رضوی، اولین کنگره بین المللی و سیزدهمین کنگره ژنتیک ایران، ۱۳۹۳، ایران.

سیدعلی فقیه ایمانی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، رسول خدابخش زاده، مطالعه چند شکلی ژن ۳ IGFBP در گوسفند کرمانی به روش PCR-SSCP، اولین کنگره بین المللی و سیزدهمین کنگره ژنتیک ایران، ۱۳۹۳، ایران.

امیرحسین جعفری دره در، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، علی ریاحی مدوار، بررسی بیان ژن CIB 4 در بیضه و تخمدان گوسفند کرمانی، اولین کنگره ملی و سیزدهمین کنگره ژنتیک ایران، ۱۳۹۳، ایران.

رسول خدابخش زاده، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، حسین مرادی شهراباک، سپیده انصاری نمین، مطالعه جهش های موجود در نیمه اول اگزون ۲ ژن GDF9 گوسفندان لری بختیاری، ششمین کنگره علوم دامی ایران تبریز، ۱۳۹۳، ایران.

رسول خدابخش زاده، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، حسین مرادی شهراباک، سپیده انصاری نمین، مطالعه جهش های موجود در نیمه دوم اگزون ۲ ژن GDF9 گوسفندان لری بختیاری، ششمین کنگره علوم دامی ایران تبریز، ۱۳۹۳، ایران.

مهرداد قاسمی میمندی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، تنوع ژنتیکی شترهای شهرستانهای شهراباک و راور با استفاده از نشانگرهای ریز ماهواره، چهارمین همایش ملی کشاورزی، آبزیان و غذا، ۱۴-۱۳ آذر ۱۳۹۳. بوشهر، ۱۳۹۳، ایران.

زهرا ابراهیمی حسین زاده، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، امین خضری، سمیه گل محمدی، سمیرا جاویدان، ارتباط ژن PIT1 با درصد پروتئین شیر در گاو هلشتاین استان خراسان رضوی، چهارمین همایش ملی کشاورزی، آبزیان و غذا، ۱۴-۱۳ آذر ۱۳۹۳. بوشهر، ۱۳۹۳، ایران.

سپیده انصاری نمین، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، رسول خدابخش زاده، آنالیز ژنتیکی تعداد سلول های بدنی در سطوح مختلف تولید شیر در گاو های هلشتاین ایران با استفاده از رکورد های روز آزمون، ششمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۳ ۰۶-۰۵، ایران.

**علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، تحلیل مولکولی صفات کمی و نقشه یابی QTL در حیوانات اهلی وضعیت فعلی و چشم انداز آینده مطالعات ژنومی در ایران، پنجمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۱، ایران.

محمد آذرروش، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، سعید سهرابی شعبجره، حسن مرادیان، صغری شمس الدینی لری، شناسایی و بررسی چندشکلی تک نوکلئوتیدی ژن تغییر دهنده فاکتور رشد بتا ۳ در بلدرچین ژاپنی با استفاده از تکنیک PCR-RFLP، دوازدهمین کنگره ژنتیک ایران، ۱۳۹۱، ایران.

مرتضی هادی زاده عباس آبادی، محمدرضا محمد آبادی، علی نیازی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، یاسر مهدیزاده، چند شکلی اگزون ۲ ژن GDF9 و ارتباط آن با چندقلوزایی در بزهای تالی و بیتال، دوازدهمین کنگره ژنتیک ایران، ۱۳۹۱، ایران.

منصوره رجایی نژاد، احمد آیت الهی مهرجردی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، بررسی چند شکلی ژن بی ام پی ۱۵ در گوسفندان آمیخته رومانوف و لری بختیاری با استفاده از روش پی سی آر-اس سی پی، ششمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۳، ایران.

مهرداد قاسمی میمندی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مهدیه منتظری، تنوع ژنتیکی شترهای شهرستان های شهربابک و رفسنجان با استفاده از نشانگرهای ریز ماهواره، اولین همایش ملی کشاورزی، محیط زیست و امنیت غذایی، ۱۳۹۳ ۱۲ ۱۲، ایران،

مهدیه ضیاءالدینی دشتخاکی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، حامد شریفی نژاد، بررسی چندشکلی ژن لپتین در بزهای نژاد کرکی رایینی با استفاده از تکنیک PCR-RFLP، سومین سمینار مدیریت پرورش دام و طیور، ۱۳۹۴، ایران.

کریم کریمی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، بررسی وضعیت حفاظت ژنتیکی در گاوهای بومی ایران با استفاده از نشانگرهای متراکم چند شکل تک نوکلئوتیدی، سومین سمینار مدیریت پرورش دام و طیور، ۱۳۹۴، ایران.

سعید سهرابی شبحجره، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، حسن مرادیان، احسان نصیری فر، شناسایی جایگاه های موثر بر نوسانات عدم تقارن بدنی در کروموزوم شماره یک بلدرچین ژاپنی، سومین سمینار مدیریت پرورش دام و طیور، ۱۳۹۴، ایران.

کریم کریمی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، محمدتقی واجدابراهیمی، شناسایی میزان عدم تعادل پیوستگی در ژنوم گاوهای بومی استان فارس با استفاده از دادههای حاصل از نشانگرهای چند شکل تک نوکلئوتیدی، اولین همایش بین المللی و نهمین همایش ملی بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران، ۱۳۹۴، ایران.

الهه سنجرى بنستانی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، بررسی چندشکلی ژن میوستاتین در بز کرکی رائینی با استفاده از روش PCR-RFLP، اولین همایش بین المللی و چهارمین همایش ملی پژوهش های محیط زیست و کشاورزی ایران، ۱۳۹۴، ایران.

مهرداد قاسمی میمندی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مهدیه منتظری، بررسی فاصله ژنتیکی جمعیت شترهای بومی استان کرمان، سومین سمینار ملی مدیریت پرورش دام و طیور، ۱۳۹۴، ایران.

محمدتقی واجدابراهیمی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، بررسی تنوع ژنتیکی جمعیت گوسفند عربی با استفاده از نشانگرهای ریزماهواره، سومین سمینار ملی مدیریت پرورش دام و طیور، ۱۳۹۴، ایران.

محمدتقی واجدابراهیمی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، رسول خدابخش زاده، بررسی تنوع ژنتیکی جمعیت گوسفند آرمان با استفاده از نشانگرهای ریزماهواره، سومین سمینار ملی مدیریت پرورش دام و طیور، ۱۳۹۴، ایران.

ملیحه خورشیدی جلالی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، ارسالن برازنده، پیش بینی وزن بدن از بیومتری ابعاد بدن در بز کرکی رائینی با استفاده از تابعیت خطی چندگانه، سومین سمینار ملی مدیریت پرورش دام و طیور، ۱۳۹۴، ایران.

محمدتقی واجدابراهیمی، محمدرضا محمد آبادی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، کریم کریمی، Analysis of genetic diversity in Kermani sheep using microsatellites markers، اولین همایش بین المللی و نهمین همایش ملی بیوتکنولوژی ج.ا. ایران، ۱۳۹۴، ایران.

زینب امیری قنات سامان، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مهدیه منتظری، منصوره رجایی نژاد، زهرا امیری قنات سامان، بررسی ارتباط بین سن لارو و خصوصیات ملکه زنبور عسل با روشهای تکپیوندی و دوپیوندی، سومین سمینار مدیریت پرورش دام و طیور، ۱۳۹۴، ایران.

منصوره رجایی نژاد، احمد آیت الهی مهرجردی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، امید علیپور، ساختار سه بعدی توالی پروتئینی ژن BMP15 در آمیخته های رومانف\_کرمانی، سومین سمینار ملی مدیریت پرورش دام و طیور، ۱۳۹۴، ایران.

مهدیه منتظری، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مهرداد قاسمی میمندی، پویشکل ژنوم جمعیت گوسفندان استرالیایی برای شناسایی نواحی تحت انتخاب، سومین سمینار ملی مدیریت پرورش دام و طیور، ۱۳۹۴، ایران.

زهرا علی جعفری، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مهدی افتخاری، مدل سازی منحنی تولید شیر در گاوهای شیری هلشتاین با استفاده از الگوریتم ژنتیک، هفتمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۵، ایران.

زهرا علی جعفری، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مهدی افتخاری، مدل سازی منحنی تولید شیر در گاوهای شیری هلشتاین با استفاده از شبکه عصبی مصنوعی، هفتمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۵، ایران.

کریم کریمی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مسعود اسدی فوزی، تجزیه واریانس مولکولی داده های حاصل از نشانگرهای چند شکل تک نوکلئوتیدی در گاوهای بومی ایران، هفتمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۵، ایران.

محمد دادپسند، اسماعیل ابراهیمی، حامد خراتی کوپایی، علی نیازی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، واکاوی فیلوژنتیکی و ساختار ژنتیکی جمعیت مرغهای بومی در ارتفاعات گوناگون از سطح دریا با استفاده از داده های NGS، هفتمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۵، ایران.

فریبا مهران پور، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مهدی افتخاری، مسعود اسدی فوزی، مدل سازی رابطه تولید شیر و ترکیبات شیر در گاوهای هلشتاین با استفاده از شبکه عصبی مصنوعی، هفتمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۵، ایران.

فریبا مهران پور، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، مهدی افتخاری، مسعود اسدی فوزی، مدل سازی رابطه تولید شیر و ترکیبات شیر در گاوهای هلشتاین با استفاده از الگوریتم ژنتیک، هفتمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۵، ایران.

مهديه منتظری، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، کاوش ژنومی تمایز جمعیتی در گوسفندان مرینوس استرالیایی، هفتمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۵، ایران.

حامد خراتی کوپایی، محمد دادپسند، اسماعیل ابراهیمی، علی نیازی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، رضا پناهی، حسن گیاهی، واکاوی شبکه ژنی برای بررسی آسیب های مغزی در شرایط هیپوکسیا با استفاده از مدل حیوانی، دومین همایش بین المللی و دهمین همایش بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران، ۱۳۹۶، ایران.

حامد خراتی کوپایی، محمد دادپسند، اسماعیل ابراهیمی، علی نیازی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، شناسایی واریانتهای ژنتیکی بین لاین آرین و توده مرغ خزک برای توصیف ژنومی صفات مربوط به ایمنی و رشد، دومین همایش بین المللی و دهمین همایش بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران، ۱۳۹۶، ایران.

سید علی مصطفوی، مسعود اسدی فوزی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، ایمان معظمی، مطالعه چندشکلی آلی ژن LCORL در نژادهای گوناگون اسب، دومین همایش ملی صنعت اسب، ۱۳۹۷، ایران.

ایمان معظمی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، محمدرضا محمد آبادی، سید علی مصطفوی، مطالعه چندشکلی ژن DMRT3 در نژادهای گوناگون اسب، دومین همایش ملی صنعت اسب، ۱۳۹۷، ایران.

رقیه جباری عوری، جلیل شجاع غیاث، کریم حسن پور، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، عباس رافت، آنالیز ترنسکریپتوم سندرم آسیت القاء شده با دمای پایین در جوجه های گوشتی، هشتمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۷، ایران.

رقیه جباری عوری، جلیل شجاع غیاث، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، عباس رافت، کریم حسن پور، بررسی تغییرات پارامترهای بیوشیمیایی در جوجههای گوشتی پرورش یافته تحت تنش سرمای برای القاء آسیت، هشتمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۷، ایران.

محمد دادپسند، حامد خراتی کوپایی، اسماعیل ابراهیمی، علی نیازی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، رضا پناهی، نقش واریانتهای mt-DNA برای سازگاری با شرایط هیپوکسیا در مرغ بومی، هشتمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۷، ایران.

**علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، عنوان سخنرانی: فرآیند اهلی سازی و تکامل ژنوم در حیوانات، هشتمین کنگره علوم دامی ایران، ۱۳۹۷، ایران.

محمدعلی فرهوشی، محمدرضا محمد آبادی، مهدی منصوری بابھوتکی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، بیان ژن میوژنین، ششمین همایش ملی مدیریت بهداشت دام، ۱۳۹۸، ایران.

عبدالمحمد صداقتفرد، مریم کریمی، مسعود ساکی حسینی، آرش جوانمرد، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، سیدعباس رافت، بررسی تعاملات بین ژنهای موثر بر افزایش فشار سرخرگ ریوی در جوجه های گوشتی، اولین همایش ملی پژوهش های نوین در علوم زیستی، ۱۴۰۰، ایران.

**علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، تنش های تغذیه ای و توارث وراثتوم در حیوانات اهلی، اولین همایش ملی افزودنی های خوراک دام و طیور با محوریت تنش های محیطی، ۱۴۰۰، ایران.

محمد دادپسند، حامد خراتی کویایی، **علی اسمعیلی زاده کشکوئیه**، شناسایی مناطق پرتراکم واریانت های ژنتیکی مرتبط با هیپوکسیا در ژنوم مرغ بومی، نهمین کنگره ملی و اولین کنگره بین المللی علوم دامی ایران، ۱۴۰۰، ایران.

۲-۴ - تعداد مقاله های ارائه شده در همایش های بین المللی (با درج مشخصات کامل) ۱۹ مقاله

Bottema, C.D.K., **Esmailizadeh, A. K.**, Cullen, N.G., Morris, C.A., Crawford, A.M., Pitchford, W.S. 2004. *A genome scan to identify chromosomal regions influencing Bovine coat color*, 29th International Conference on Animal Genetics, September 11-16, Tokyo, Japan.

**Esmailizadeh, A. K.** 2004. *Bayesian model averaging as a robust method for gene mapping*. The first congress on animal science. Tehran University, Iran.

**Esmailizadeh, A. K.**, Pitchford, W.S., Bottema, C.D.K., Kruk, Z.A., Morris, C.A., Cullen, N.G., Crawford, A.M., 2005. *Association of the exon 9 single-nucleotide polymorphism of capn1 with beef tenderness*. Association for the Advancement of Animal Breeding and Genetics, Proceedings of the Sixteenth Conference, Noosa, Queensland, Australia.

**Esmailizadeh, A. K.**, Pitchford, W.S. Cullen, N.G., Morris, C.A., Crawford, A.M., Bottema, C.D.K. 2004. *Bovine gene mapping*. Proceedings of the 4<sup>th</sup> international Iran and Russia conference "Agriculture and Natural Resources", Sep. 8-10, ShahreKord, Iran, pp. 82-83.

**Esmailizadeh, A. K.**, Pitchford, W.S., Kruk, Z.A., Morris, C.A., Cullen, N.G., Crawford, A.M. and Bottema, C.D.K. 2005. *QTL for meat colour and pH in Bos taurus cattle*. Association for the Advancement of Animal breeding and Genetics, Proceedings of the Sixteenth Conference, Noosa, Queensland, Australia.

**Esmailizadeh A. K.**, Pitchford, W.S., Bottema, C.D.K., Verbyla, A.P. and Gilmour, A.R. 2006. *Mapping multiple QTL for birth weight in cattle growth using a mixed model approach*. 8th World Congress on Genetics applied to livestock production, Brazil. CDROM Article 20-17.

Pitchford, W.S., **Esmailizadeh A. K.**, Gilmour, A.R. 2007. *Combining information across traits using a factor analytic model increases the power of QTL detection*. Association for the Advancement of Animal breeding and Genetics, Proceedings of the Seventeenth Conference, Armidale, NSW, Australia.

- Ferdosi M.H.; **A. K. Esmailizadeh**; M. Sadeghi and A. Katanforoush; "Comparison of different software for Haplotype inference based on number of genotypes required for a specific accuracy", 3<sup>rd</sup> Iranian Conference on Bioinformatics, 5-6 January 2010, Tehran, Iran, pp. 64.
- Forghani M.A.; **A. K. Esmailizadeh**; "The study of influence of feeding with different levels of vitamin C on the rate of brood rearing and honey production in *Apis mellifera* honey bee colonies", 41<sup>st</sup> Congress Apimonia, 15-20 September 2009, Montpellier, France.
- Ghaffarizadeh A.; M. Eftekhari and **A. K. Esmailizadeh**; "A novel evolutionary algorithm based method for efficient quantitative trait loci mapping", 3<sup>rd</sup> Iranian Conference on Bioinformatics, 5-6 January 2010, Tehran, Iran, pp. 49.
- Ghaffarizadeh, A., M. Eftekhari and **A.K. Esmailizadeh**; "Using bayesian information criterion in quantitative trait loci mapping problem", 11<sup>th</sup> Iranian Genetics Congress, 22-24 May 2010, Tehran, Iran.
- Ghaffarizadeh, A., M. Eftekhari and **A.K. Esmailizadeh**; "Using multi-objective evolutionary algorithm for solving quantitative trait loci mapping problem", 11<sup>th</sup> Iranian Genetics Congress, 22-24 May 2010, Tehran, Iran.
- Esmailizadeh A.K.**, M. S. Mokhtari and M. Bahaaddini; "Confirmation of quantitative trait loci on ovine chromosome 1 influencing weaning weight", 11<sup>th</sup> Iranian Genetics Congress, 22-24 May 2010, Tehran, Iran.
- Dashab, G.R., A.A., Aslaminejad, M.R., Nasiri, **A.K. Esmailizadeh**, D.A., Saghi; "Quantitative trait loci study in Baluchi sheep", Book of Abstracts of the 62<sup>nd</sup> Annual Meeting of the European Federation of Animal Science, 29 August-2 September 2011, Stavanger, Norway.
- Dashab, G.R., A.A., Aslaminejad, M.R., Nasiri, **A.K. Esmailizadeh**, G., Saghi; "Polymorphism evaluation of microsatellite DNA markers and genetic structure of Baluchi sheep", Book of Abstracts of the 62<sup>nd</sup> Annual Meeting of the European Federation of Animal Science, 29 August-2 September 2011, Stavanger, Norway.
- Strucken, Eva; Karimi, K; **Esmailizadeh, A**; Moghaddar, Nasiroddin; Gondro, Cedric, "Genetic Diversity and Effective Population Sizes of Eight Iranian Cattle Breeds", 21<sup>st</sup> Conference of the Association for the Advancement of Animal Breeding and Genetics, 28th - 30th September 2015, Lorne, Australia.

Hamed Kharrati-Koopae - Mohammad Dadpasand - Esmaeil Ebrahimie - Ali Niazi - **Ali Esmailizadeh** - Fatemeh Atashi-Shirazi; "Applying data mining algorithms to identify key variants and candidate genes for adaptation to hypoxia in Iranian indigenous chickens", The Third International and 15th National Genetics Congress, 13-15 May 2018 Organized by Iranian Genetics Society, Tehran, Iran.

Hadi Charati, Min-Sheng Peng, Xing-Yan Yang, **Ali Esmailizadeh**, Ya-Ping Zhang, "Genetics of lactase persistence in Iranian populations", the 1<sup>st</sup> AsiaEvo Conference, 18 to 20 April 2018, Shenzhen, China.

Ng'ang'a S, W Li, P Savolainen, A Poyarkov, **A Esmailizadeh**, A Adeola, A Aldashev, D Mauki, Y Wu, G Wang, M Peng, Y Zhang, "A mitogenomic dissection of genetic diversity and selection in the sighthound dogs", the 1<sup>st</sup> AsiaEvo Conference, 18 to 20 April 2018, Shenzhen, China.

۲-۵- تعداد ارجاعات

ارجاعات: ۲۹۴۷ **h-Index**: ۳۰ **Scopus** /:

ارجاعات: ۵۷۴۸ **h-Index**: ۴۳ **Google Scholar** /:

۲-۶- کتاب‌های تألیف شده ( شامل نام نویسنده (نویسندگان)، سال انتشار، عنوان، محل انتشار، ناشر، تعداد

صفحه، و نام ویراستار

علیرضا عرب پور، زینب امیری قنات سامان، مهدیه منتظری، علی اسمعیلی زاده کشکوئیه، ۱۳۹۶، محاسبات آماری با R و کاربردهای آن، انتشارات جهاد دانشگاهی استان کرمان، ۲۳۵ ص.

۲-۷- کتاب‌های ترجمه شده ( شامل نام نویسنده (نویسندگان)، نام مترجم (مترجمان)، سال انتشار، عنوان

فارسی، محل انتشار، ناشر، تعداد صفحه، و نام ویراستار

محمد رضا محمدآبادی، امین باقی زاده، فاطمه السادات حسینی، علی اسمعیلی زاده کشکوئیه، ۱۳۸۷، فناوری های زیست شناسی ملکولی، انتشارات خصوصی کرمان، ۴۰۳ ص.

۳- تعداد طرح‌های پژوهشی اجرا شده : (فهرست در پیوست آورده شود با ذکر مشخصات (شامل نام مجری (مجریان) و همکار (همکاران)، عنوان، تاریخ شروع و خاتمه اجرای طرح، نتایج (به صورت گزارش پایانی، مقاله، استفاده از آن در فناوری).

-همکار در اجرای پروژه ملی آمیخته گری گوسفندان بومی کشور (سال ۱۳۸۱-۱۳۸۰)، مجری طرح: سیدرضا میراثی آشتیانی، گزارش پایانی. دانشگاه تهران.

مجرى طرح تحقیقاتی "اثرات فلاشینگ بر عملکرد تولید مثل میش های نژاد کردی" (سال ۸۰-۱۳۷۸). گزارش پایانی. دانشگاه ایلام.

مجرى طرح تحقیقاتی "بررسی خصوصیات فنوتیپی و ژنوتیپی گوسفندان نژاد کردی در استان ایلام" (سال ۸۱-۱۳۷۸). گزارش پایانی. دانشگاه ایلام.

مجرى طرح تحقیقاتی "اثرات آمیخته گری بر بازده غذایی و کیفیت لاشه بره های نژاد کردی" (سال ۸۱-۱۳۸۰). گزارش پایانی و انتشار مقاله. دانشگاه ایلام.

مجرى طرح تحقیقاتی "کارآیی یک مدل تحلیلی عاملی در تشخیص ژنهای پیوسته و پلیوتروپی" (۱۳۸۸)، گزارش نهایی طرح پژوهشی و انتشار مقاله، دانشگاه شهید باهنر کرمان.

مجرى طرح تحقیقاتی "نقشه یابی نواحی ژنومی مرتبط با صفات اقتصادی در بلدرچین ژاپنی" (۱۳۹۰-۱۳۸۷)، گزارش نهایی طرح پژوهشی و انتشار مقاله، مرکز بین المللی علوم پیشرفته و علوم محیطی، کرمان.

مجرى طرح تحقیقاتی "تحلیل پیوستگی نشانگرهای مولکولی کروموزوم ۱ برای شناسایی نواحی ژنومی موثر بر خصوصیات لاشه بلدرچین ژاپنی" (۱۳۸۹)، گزارش نهایی طرح پژوهشی و انتشار مقاله، دانشگاه شهید باهنر کرمان.

همکار در اجرای "تهیه نقشه ژنتیکی جایگاههای ژنی کنترل کننده رشد در گوسفند نژاد لری-بختیاری" (۱۳۸۹)، گزارش نهایی طرح پژوهشی و انتشار مقاله، دانشگاه شهید باهنر کرمان.

مجرى طرح پژوهشی "تحلیل ژنومیک جمعیت مرغ بومی فارس با استفاده از فناوری های نسل بعد توالی یابی" (۱۳۹۵-۱۳۹۶)، گزارش نهایی طرح پژوهشی و انتشار مقاله، مرکز مطالعات و همکاری‌های علمی بین المللی وزارت علوم، تحقیقات و فناوری.

مجرى طرح پژوهشی "توسعه کیت مبتنی بر DNA با هدف بهبود بازده تولید مثل گوسفندان بومی"، طرح فناوری پنج ساله در راستای تولید علم نافع و توسعه دانش بنیان کشور (۱۳۹۱-۱۳۹۵)، دانشگاه شهید باهنر کرمان، گزارش نهایی طرح پژوهشی و استفاده در فناوری.

مجرى طرح پژوهشی "استنباط ساختار جمعیت و روابط فیلوژنتیکی توده های مرغ بومی با هدف ارائه راهکارهایی برای حفظ توده های مرغ بومی کشور" (۱۴۰۲-۱۴۰۱)، گزارش نهایی طرح پژوهشی و انتشار مقاله، مرکز مطالعات و همکاری‌های علمی بین المللی وزارت علوم، تحقیقات و فناوری.

مجرى طرح پژوهشی "توصیف مولکولی گوسفندان بومی روسیه و فلات ایران" (۱۴۰۳-۱۴۰۰)، گزارش نهایی طرح پژوهشی و انتشار مقاله، طرح بین المللی صندوق حمایت از پژوهشگران و فناوران کشور (INSF) و بنیاد پژوهش‌های بنیادی روسیه (RFBR).

مجرى طرح پسادکتری "شناسایی واریانت های ژنتیکی اختصاصی اکوتیپ های مرغ بومی ایران برای ارزیابی توان بهنژادی و حفاظت ژنتیکی"، پژوهشگر طرح: دکتر حامد خراتی کوپایی، (۱۴۰۱-۱۴۰۰)، گزارش نهایی طرح پژوهشی و انتشار مقاله، صندوق حمایت از پژوهشگران و فناوران کشور.

#### ۴- جایزه‌ها و نشان‌های علمی داخلی:

-پژوهشگر برتر دانشگاه شهید باهنر کرمان در حوزه علوم کشاورزی در سال ۱۳۹۰

-سخنران برگزیده علمی ششمین همایش ملی بیوتکنولوژی جمهوری اسلامی ایران

- صاحب اثر پژوهشی برتر دانشکده کشاورزی-دانشگاه شهید باهنر کرمان در سال ۱۳۹۰
- پژوهشگر برتر دانشگاه شهید باهنر کرمان در حوزه علوم کشاورزی در سال ۱۳۹۱
- پژوهشگر نمونه استان کرمان در سال ۱۳۹۱
- پژوهشگر برتر دانشگاه شهید باهنر کرمان در سال ۱۳۹۴
- پژوهشگر نمونه استان کرمان در سال ۱۳۹۷
- پژوهشگر نمونه دانشگاه شهید باهنر کرمان در سال ۱۳۹۸
- استاد نمونه آموزشی دانشگاه شهید باهنر کرمان در سال ۱۴۰۰
- پژوهشگر نمونه بین المللی در دانشگاه شهید باهنر کرمان در سال ۱۴۰۱
- پژوهشگر برتر دانشگاه شهید باهنر کرمان در سال ۱۴۰۳
- پژوهشگر برتر دانشگاه شهید باهنر کرمان در سال ۱۴۰۴

### 5-جایزه‌ها و نشان‌های علمی بین‌المللی:

- دریافت فلوشیپ تحقیقاتی از فرهنگستان علوم جمهوری خلق چین (Chinese Academy of Sciences) در سال ۱۳۹۵.
- دریافت فلوشیپ تحقیقاتی از فرهنگستان علوم جمهوری خلق چین (Chinese Academy of Sciences) در سال ۱۴۰۴.
- The Belt and Road innovative talent exchange foreign experts project, 2022-01 to 2022-12 | Award, Inner Mongolia Academy of Agricultural and Animal Husbandry Science, Ministry of Science and Technology of the People's Republic of China (Beijing, CN).
- The Belt and Road innovative talent exchange foreign experts project, 2020-01 to 2020-12 | Award, Ministry of Science and Technology of the People's Republic of China (Beijing, CN).

### 6- داشتن خدمات ارزشمند در سازندگی و ارتقای سطح علمی و پیشرفت کشور:

#### 6-1-سوابق و مسئولیت‌های علمی اجرایی:

- عضو کارگروه تخصصی علوم دامی در وزارت علوم، تحقیقات و فناوری از سال ۱۳۹۷ تا ۱۴۰۱
- عضو هیات علمی گروه علوم دامی دانشگاه ایلام (از سال ۱۳۷۷ تا سال ۱۳۸۱)- تدریس دروس ژنتیک پایه، ژنتیک و اصلاح دام، طرح آزمایشات کشاورزی، کاربرد آمار و احتمالات در دامپروری، پرورش گاو شیری
- عضو هیات علمی بخش علوم دامی دانشگاه شهید باهنر کرمان (از سال ۱۳۸۵ تا کنون)- تدریس دروس انگلیسی برای دانشجویان کارشناسی ارشد علوم دامی، ژنتیک مولکولی و مهندسی ژنتیک، آنالیز مولکولی صفات کمی، طرح آزمایشات دامپروری، کاربرد روش‌های پیشرفته آماری در علوم دامی، ژنتیک کمی پیشرفته، ژنتیک جمعیت، ارزیابی ژنومی
- مسئول ایستگاه‌های تحقیقاتی دامپروری دانشگاه ایلام (از سال ۱۳۷۸ تا سال ۱۳۸۱)
- مسئول ایستگاه‌های تحقیقاتی دامپروری دانشگاه شهید باهنر کرمان (از سال ۱۳۸۶ تا مهرماه ۱۳۸۹)
- مسئول هسته فناوری‌های نوین در تولید و فرآوری محصولات دامی (از سال ۱۳۸۷ تا اسفندماه ۱۳۸۹)
- مدیر بخش علوم دامی دانشگاه شهید باهنر کرمان (از مهرماه ۱۳۸۹ تا آبانماه ۱۳۹۳)
- مدیر عامل شرکت نوین صنعت دام کارمانیا (شرکت دانش بنیان خدمات تخصصی-مشاوره ای-تولیدی در زمینه دام و طیور)
- مسئول راه اندازی دوره دکتری تخصصی ژنتیک و اصلاح نژاد دام در دانشگاه شهید باهنر کرمان

- رابط فرهنگی و ارتباط با صنعت دانشکده کشاورزی، دانشگاه شهید باهنر کرمان از سال ۱۳۸۶ تا ۱۳۹۰
- عضو کمیسیون تخصصی علوم دامی، اقتصاد کشاورزی و صنایع غذایی در دانشگاه شهید باهنر کرمان از سال ۱۳۹۹ تاکنون
- اجرای کارگاه ۳ روزه کارگاه مبانی و روشهای آماری در تجزیه QTL (۱۳۸۹) (بیوتکنولوژی کشاورزی-شاخه شمال کشور).
- مجری کارگاه تجزیه و تحلیل داده های ژنومی در دانشگاه شهید باهنر کرمان، شهریورماه ۱۳۹۲.
- مجری کارگاه روشهای بررسی ساختار جمعیتی و تنوع ژنتیکی در جوامع حیوانی با استفاده از تجزیه اطلاعات شجره در دانشگاه شهید باهنر کرمان، شهریورماه ۱۳۹۲.
- مجری کارگاه روشهای آماری مقدماتی در تجزیه و تحلیل داده های ژنتیکی با استفاده از برنامه R در دانشگاه شهید باهنر کرمان، شهریورماه ۱۳۹۲.
- مجری کارگاه روشهای رگرسیونی و مدل های خطی تعمیم یافته (GLM) مورد استفاده در اصلاح نژاد دام با استفاده از برنامه R در دانشگاه شهید باهنر کرمان، شهریورماه ۱۳۹۲.
- مجری کارگاه دو روزه تحلیل داده های توالی یابی کل ژنوم به روش نسل جدید (NGS)، آبانماه ۱۳۹۸، موسسه تحقیقات سرم و واکسن رازی، مشهد.
- مجری کارگاه آشنایی با روش های توالی یابی کل ژنوم به روش نسل جدید (NGS)، دیماه ۱۴۰۰، موسسه تحقیقات سرم و واکسن رازی، کرج.

## 2-6- عناوین خدمات ارزشمند:

- راه اندازی و تجهیز آزمایشگاه " زیست فناوری دام، طیور و آبزیان " در دانشگاه شهید باهنر کرمان، سال ۱۳۸۹.
- راه اندازی ژورنال تخصصی انگلیسی زبان (Journal of Livestock Science and Technologies) با همکاری انجمن علوم دامی ایران و دانشگاه شهید باهنر کرمان که هم اکنون دارای نمایه اسکوپوس است.

## 3-6-عضویت در انجمن ها، مجامع و هیئت تحریریه مجله های علمی

- عضو انجمن علوم دامی ایران
- عضو انجمن ژنتیک ایران
- عضو هیات داوران مجله علوم دامی ایران
- عضو هیات داوران مجله ژنتیک نوین
- عضو هیات داوران مجله پژوهش های علوم دامی ایران
- عضو هیات داوران مجله تولیدات دامی
- عضو هیات تحریریه مجله تولیدات دامی، دانشگاه تهران
- عضو هیات تحریریه مجله علوم دامی ایران، دانشگاه تهران
- عضو سازمان نظام مهندسی کشاورزی
- سازمان ملی استاندارد ایران، کارشناس استاندارد در زمینه تخصصی دامپروری و فرآورده های کشاورزی
- Reviewers of international journals: Animal Genetics, Animal, Genomics, Frontier in Genetics, Animal Biotechnology.
- Associate editor, Journal of Livestock Science and Technologies (Scopus indexed)

## 4-6-عناوین فعالیت های علمی - پژوهشی در فرهنگستان ها:

-با فرهنگستان علوم جمهوری خلق چین (Chinese Academy of Sciences) از سال ۱۳۹۳ تاکنون فعالیت نزدیک داشته ام که حاصل آن انجام پروژه های تحقیقاتی مشترک و اعزام دانشجویان تحصیلات تکمیلی بصورت فرصت های کوتاه مدت، بورسیه دوره دکتری تخصصی و پسادکتری بوده است. نتایج تحقیقات مشترک بصورت مقالات علمی مشترک به چاپ رسیده که در بخش مربوط به مقالات لیست شده اند.

-عضو خارجی فرهنگستان علوم روسیه از سال ۱۴۰۴

## 7- پرورش دانشجویان و یا پژوهشگران شایسته:

1-7- تعداد دانشجویان دکترای تخصصی:

راهنمایی : ۱۲ نفر      پایان یافته ۹ نفر، در دست انجام ۳ نفر

مشاوره : ۱۱ نفر      پایان یافته ۸ نفر، در دست انجام ۲ نفر

2-7- تعداد دانشجویان کارشناسی ارشد:

تحت راهنمایی : ۴۰ نفر      پایان یافته ۳۸ نفر، در دست انجام ۲ نفر

تحت مشاوره : ۵۸ نفر      پایان یافته ۵۵ نفر، در دست انجام ۳ نفر

8-اطلاعات زیر را در صورت داشتن تکمیل فرمایید:

1-8 Scopus Author ID [24279258300](https://orcid.org/0000-0003-0986-6639)

2-8 ISI Researcher ID [N-9005-2016](https://orcid.org/0000-0003-0986-6639)

3-8 ORCID [0000-0003-0986-6639](https://orcid.org/0000-0003-0986-6639)

4-8 Google Scholar Page

<https://scholar.google.com/citations?user=xx1fargAAAAJ&hl=en>

9-خواهشمند است موارد زیر را نیز تکمیل فرمائید:

الف- داشتن مسئولیت اجرایی با ذکر عنوان: خیر

ب- ارتباط علمی با مراکز علمی بین المللی با ذکر نام مراکز:

- State Key Laboratory of Genetic Resources and Evolution, Yunnan Laboratory of Molecular Biology of Domestic Animals, Kunming Institute of Zoology, Chinese Academy of Sciences, Kunming, Yunnan, China
- China Agricultural University, Beijing, China.
- Institute of Animal Husbandry, Biotechnology and Nature Conservation, University of Debrecen, Debrecen, Hungary.
- L.K. Ernst Federal Science Center for Animal Husbandry, 142132 Moscow, Russia.

ج- ارتباط علمی با مراکز علمی داخلی با ذکر نام مراکز:

دانشگاه تبریز, دانشگاه کردستان, دانشگاه جیرفت, موسسه تحقیقات علوم دامی کشور, دانشگاه تحصیلات تکمیلی کرمان. دانشگاه تهران.

د- ارتباط علمی با مؤسسه‌های اجرایی مرتبط با تخصص با ذکر نام مؤسسه‌ها:

مرکز بهبود مدیریت و اصلاح نژاد دام کشور, سازمان جهاد کشاورزی استان کرمان. موسسه تحقیقات دامپروری کشور, سازمان امور عشایری استان کرمان. اتحادیه دامداران استان کرمان.

## 10- سایر اطلاعات:

عضویت در کنسرسیوم های بین المللی ژنومیک حیوانی:

### - [The AdaptMap Consortium](#)

*International initiatives on goat genetics and genomics*

**AdaptMap: exploring goat diversity and adaptatio**

<https://gsejournal.biomedcentral.com/articles/10.1186/s12711-018-0427-5>

### -**Chicken2K: A Database for Global Chicken Genomic Resources**

<http://chicken.ynau.edu.cn/index/about/index.html#section4>